7/762249 2750 Copie à l'intention de l'office élu (EO/US) PCT/FR99/014 TRAITE COOPERATION EN MATIE DE BREVETS Expéditeur: le BUREAU INTERNATIONAL PCT . Destinataire: **NOTIFICATION DE L'ENREGISTREMENT** MARTIN, Jean-Jacques **D'UN CHANGEMENT** Cabinet Regimbeau 20, rue de Chazelles (règle 92bis.1 et F-75847 Paris Cedex 17 instruction administrative 422 du PCT) **FRANCE** Date d'expédition (jour/mois/année) 30 mars 2001 (30.03.01) Référence du dossier du déposant ou du mandataire **NOTIFICATION IMPORTANTE** 340063/16333 Date du dépôt international (jour/mois/année) Demande internationale no PCT/FR99/01479 18 juin 1999 (18.06.99) 1. Les renseignements suivants étaient enregistrés en ce qui concerne: le mandataire le représentant commun le déposant l'inventeur Nationalité (nom de l'Etat) Domicile (nom de l'Etat) Nom et adresse

2. Le Bureau international notifie au déposant que le changement indiqué ci-après a été enregistré en ce qui concerne: la personne
Nom et aufesse
Mizitality, ocali-bacques
Cabinet Regimbeau no de téléphone 20, rue de Chazelles
F-75847 Paris Cedex 17 FRANCE 01-44-29 35 00 no de télécopieur
01-44-29 35 99
no de téléimprimeur
3. Observations complémentaires, le cas échéant:
4. Une copie de cette notification a été envoyée:
X à l'office récepteur aux offices désignés concernés
à l'administration chargée de la recherche internationale
X à l'administration chargée de l'examen préliminaire international autre destinataire:

Bureau international de l'OMPI 34, chemin des Colombettes 1211 Genève 20, Suisse

Fonctionnaire autorisé:

Simin Baharlou

no de téléphone (41-22) 338.83.38

DC	۱
Ρ(.	ı

11

NOTIFICATION D'ELECTION

(règle 61.2 du PCT)

Expéditeur:	le	BUREAU	INTERNA	TIONAL
-------------	----	---------------	---------	--------

Destinataire:

Assistant Commissioner for Patents United States Patent and Trademark Office Box PCT

Washington, D.C.20231 ETATS-UNIS D'AMERIQUE

Date d'expédition (jour/mois/année)
03 avril 2000 (03.04.00)

Demande internationale no
PCT/FR99/01479

Date du dépôt international (jour/mois/année)
18 juin 1999 (18.06.99)

Déposant

AMSON, Robert etc

1.	L'office désigné est avisé de son élection qui a été faite:
	dans la demande d'examen préliminaire international présentée à l'administration chargée de l'examen préliminaire international le:
	01 mars 2000 (01.03.00)
	dans une déclaration visant une élection ultérieure déposée auprès du Bureau international le:
*	
2.	L'élection X a été faite
	n'a pas été faite
	avant l'expiration d'un délai de 19 mois à compter de la date de priorité ou, lorsque la règle 32 s'applique, dans le délai visé à la règle 32.2b).
	•

Bureau international de l'OMPI 34, chemin des Colombettes 1211 Genève 20, Suisse Fonctionnaire autorisé

R. Forax

no de téléphone: (41-22) 338.83.38

PCT

ORGANISATION MONDIALE DE LA PROPRIETE INTELLECTUELLE Bureau international



DEMANDE INTERNATIONALE PUBLIEE EN VERTU DU TRAITE DE COOPERATION EN MATIERE DE BREVETS (PCT)

(51)	Classification internationale des brevets 7:		(1	11) Numéro de publication internationale: WO 00/08147
	C12N 15/12, 15/86, 5/10, C07K 14/82, 14/47, 16/32, C12Q 1/68, G01N 33/50, A61K 31/70, 38/17	A1	(4	43) Date de publication internationale: 17 février 2000 (17.02.00)
(21)	Numéro de la demande internationale: PCT/FR	99/014	79	(81) Etats désignés: CA, JP, US, brevet européen (AT, BE, CH, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL,
(22)	Date de dépôt international: 18 juin 1999 (18.06.9	9)	PT, SE).
(30)	Données relatives à la priorité: 98/10077 5 août 1998 (05.08.98)	1	FR	Publiée Avec rapport de recherche internationale.
(71)	Déposant (pour tous les Etats désignés sauf US): FON JEAN DAUSSET-CEPH [FR/FR]; 27, rue Juliet F-75010 Paris (FR).			
(75)	Inventeurs; et Inventeurs/Déposants (US seulement): AMSON [FR/FR]; 10, rue Gay Lussac, F-75005 Paris (F. ERMAN, Adam [FR/FR]; 12, rue de la Chaise, Paris (FR).	R). TE	L-	
	 ERMAN, Adam [FR/FR]; 12, rue de la Chaise, Paris (FR). Mandataires: MARTIN, Jean-Jacques etc.; Cabine beau, 26, avenue Kléber, F-75116 Paris (FR). 	t Regi	m-	
<u></u>	***************************************			
(54)	Title: GENES INVOLVED IN THE MOLECULA VIRUSES	AR PA	TH	S FOR TUMOUR SUPPRESSION AND /OR RESISTANCE TO
(54)	Titre: GENES IMPLIQUES DANS LES VOIES MOI AUX VIRUS	LECUI	LAI	RES DE LA SUPPRESSION TUMORALE ET/OU LA RESISTANCE
(57)	Abstract			
cell	The invention concerns genes involved in the molecexpression is in particular induced or inhibited during	cular pa apopto	iths sis	s for tumour suppression and/or resistance to viruses, and whereof the and/or tumour suppression.
(57)	Abrégé			
l'ex	L'invention concerne des gènes impliqués dans les vo pression cellulaire est notamment induite ou inhibée lo	oies mo ors de l'	oléc 'apo	culaires de la suppression tumorale et/ou la résistance aux virus, et dont optose et/ou la suppression tumorale.
				•

UNIQUEMENT A TITRE D'INFORMATION

Codes utilisés pour identifier les Etats parties au PCT, sur les pages de couverture des brochures publiant des demandes internationales en vertu du PCT.

AL	Albanie	ES	Espagne	LS	Lesotho	SI	Slovénie
AM	Arm <i>é</i> nie	FI	Finlande	LT	Lituanie	SK	Slovaquie
AT	Autriche	FR	France	LU	Luxembourg	SN	Sénégal
ΑU	Australie	GA	Gabon	LV	Lettonie	SZ	Swaziland
AZ	Azerbaïdjan	GB	Royaume-Uni	MC	Моласо	TD	Tchad
BA	Bosnie-Herzégovine	GE	Géorgie	MD	République de Moldova	TG	Togo
BB	Barbade	GH	Ghana	MG	Madagascar	TJ	Tadjikistan -
BE	Belgique	GN	Guinée	MK	Ex-République yougoslave	TM	Turkménistan
BF	Burkina Faso	GR	Grèce		de Macédoine	TR	Turquie
BG	Bulgarie	HU	Hongrie	ML	Mali	TT	Trinité-et-Tobago
BJ	Bénin	IE	Irlande	MN	Mongolie	UA	Ukraine
BR	Brésil	IL	Israël	MR	Mauritanie	UG	Ouganda
BY	Bélarus	IS	Islande	MW	Malawi	US	Etats-Unis d'Amérique
CA	Canada	IT	Italie	MX	Mexique	UZ	Ouzbékistan
CF	République centrafricaine	JP	Japon	NE	Niger	VN	Viet Nam
CG	Congo	KE	Келуа	NL	Pays-Bas	YU	
CH	Suisse	KG	Kirghizistan	NO	Norvège	zw	Yougoslavie Zimbabwe
CI-	Côte d'Ivoire	KP	République populaire	NZ	Nouvelle-Zélande	211	Zimozowe
CM	Cameroun		démocratique de Corée	PL	Pologne		
CN	Chine	KR	République de Corée	PT	Portugal		
CU	Cuba	KZ	Kazakstan	RO	Roumanie		
CZ	République tchèque	LC	Sainte-Lucie	RU	Fédération de Russie		
DE	Allemagne	LI	Liechtenstein	SD	Soudan		
DK	Donemark	1.4	Coi I and a	310	Soudan		

Suède

Singapour

SE SG

Danemark

Estonie

DK

EE

LK LR

Sri Lanka

Libéria



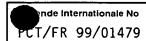
PCT

RAPPORT DE RECHERCHE INTERNATIONALE

(article 18 et règles 43 et 44 du PCT)

Référence du dossier du déposant ou du mandataire		mission du rapport de recherche internationale et, le cas échéant, le point 5 ci-après
340063/16333	A DONNER	et, le cas échéant, le point 5 ci–après
Demande internationale nº	Date du dépôt international(jour/mois/année)	(Date de priorité (la plus ancienne) (jour/mois/année)
PCT/FR 99/01479	18/06/1999	05/08/1998
Déposant		<u> </u>
FONDATION JEAN DAUSSET-CE	PH et al.	
Le présent rapport de recherche internation déposant conformément à l'article 18. Une	onale, établi par l'administration chargée de la re e copie en est transmise au Bureau internationa	echerche internationale, est transmis au Il.
Ce rapport de recherche internationale co	mprend feuilles.	
X II est aussi accompagné d	l'une copie de chaque document relatif à l'état c	de la technique qui y est cité.
Base du rapport		
 a. En ce qui concerne la langue, la r langue dans laquelle elle a été dé 	recherche internationale a été effectuée sur la b posée, sauf indication contraire donnée sous le	ase de la demande internationale dans la même point.
la recherche internationale	a été effectuée sur la base d'une traduction de	e la demande internationale remise à l'administration.
 b. En ce qui concerne les séquence la recherche internationale a été e 	es de nucléotides ou d'acides aminés divulgu effectuée sur la base du listage des séquences :	ées dans la demande internationale (le cas échéant),
X contenu dans la demande	internationale, sous forme écrite.	
X déposée avec la demande	e internationale, sous forme déchiffrable par ord	linateur.
	dministration, sous forme écrite.	
<u></u>	dministration, sous forme déchiffrable par ordina	ateur. et fourni ultérieurement ne vas pas au-delà de la
divulgation faite dans la de	emande telle que déposée, a été fournie.	et tourni uiterieurement ne vas pas au-deia de la
La déclaration, selon laque du listage des séquences	elle les informations enregistrées sous forme dé présenté par écrit, a été fournie.	échiffrable par ordinateur sont identiques à celles
2. Il a été estimé que certai	nes revendications ne pouvaient pas faire l'	objet d'une recherche (voir le cadre I).
3. Il y a absence d'unité de	l'invention (voir le cadre II).	
4. En ce qui concerne le titre,		
X le texte est approuvé tel qu	u'il a été remis par le déposant.	
Le texte a été établi par l'a	dministration et a la teneur suivante:	
5. En ce qui concerne l'abrégé,		·
<u>Ι</u> Δ. '' '	u'il a été remis par le déposant	
le texte (reproduit dans le présenter des observation de recherche international	cadre III) a été établi par l'administration confor s à l'administration dans un délai d'un mois à co e.	mément à la règle 38.2b). Le déposant peut ompter de la date d'expédition du présent rapport
6. La figure des dessins à publier avec l		
suggérée par le déposant.		Aucune des figures n'est à publier.
parce que le déposant n'a		
parce que cette figure cara	iciense inieux i invention.	

RAPPORT DE RECHERCHE INTERNATIONALE



A. CLASSEMENT DE L'OBJET DE LA DEMANDE CIB 7 C12N15/12 C12N15/86

C07K16/32

C12Q1/68

C12N5/10 G01N33/50 C07K14/82 A61K31/70

C07K14/47 A61K38/17

Selon la classification internationale des brevets (CIB) ou à la fois selon la classification nationale et la CIB

B. DOMAINES SUR LESQUELS LA RECHERCHE A PORTE

Documentation minimale consultée (système de classification suivi des symboles de classement)

CIB 7 C12N C07K C12Q G01N A61K

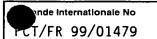
Documentation consultée autre que la documentation minimale dans la mesure où ces documents relèvent des domaines sur lesquels a porté la recherche

Base de données électronique consultée au cours de la recherche internationale (nom de la base de données, et si réalisable, termes de recherche utilisés)

C. DOCUM	ENTS CONSIDERES COMME PERTINENTS	
Catégorie °	Identification des documents cités, avec, le cas échéant, l'indication des passages pertinents	no. des revendications visées
X	WO 97 22695 A (FONDATION JEAN DAUSSET CEPH; TALERMAN ADAM (FR); AMSON ROBERT (FR)) 26 juin 1997 (1997-06-26) abrégé page 1 -page 3 exemples 1,2 revendications 1-32 * remarquez que l'expression de gènes en amont, notamment p53, assure la régulation des gènes revendiqués ici *	16,18, 21,22 1-15,17, 19,20,
	<u></u> -/ ;	23-25

X Voir la suite du cadre C pour la fin de la liste des documents	X Les documents de familles de brevets sont indiqués en annexe
 Catégories spéciales de documents cités: "A" document définissant l'état général de la technique, non considéré comme particulièrement pertinent "E" document antérieur, mais publié à la date de dépôt international ou après cette date "L" document pouvant jeter un doute sur une revendication de priorité ou cité pour déterminer la date de publication d'une autre citation ou pour une raison spéciale (telle qu'indiquée) "O" document se référant à une divulgation orale, à un usage, à une exposition ou tous autres moyens "P" document publié avant la date de dépôt international, mais postérieurement à la date de priorité revendiquée 	"T" document ultérieur publié après la date de dépôt international ou la date de priorité et n'appartenenant pas à l'état de la technique pertinent, mais cité pour comprendre le principe ou la théorie constituant la base de l'invention "X" document particulièrement pertinent; l'inven tion revendiquée ne peut être considérée comme nouvelle ou comme impliquant une activité inventive par rapport au document considéré isolément "Y" document particulièrement pertinent; l'inven tion revendiquée ne peut être considérée comme impliquant une activité inventive lorsque le document est associé à un ou plusieurs autres documents de même nature, cette combinaison étant évidente pour une personne du métier "&" document qui fait partie de la même famille de brevets
Date à laquelle la recherche internationale a été effectivement achevée	Date d'expédition du présent rapport de recherche internationale
8 octobre 1999	21/10/1999
Nom et adresse postale de l'administration chargée de la recherche internation Office Européen des Brevets, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL – 2280 HV Rijswijk Tel. (+31–70) 340–2040, Tx. 31 651 epo nl, Fax: (+31–70) 340–3016	Galli, I

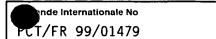
RAPPORT DE RECHERCHE INTERNATIONALE



0 (15 - 1- 15	0011151170 0010175770 001117	PC1/FR 99/014/9
C.(suite) D Catégorie °	OCUMENTS CONSIDERES COMME PERTINENTS Identification des documents cités, avec,le cas échéant, l'indicationdes passages per	inents no. des revendications visées
X	AMSON R B ET AL: "ISOLATION OF 10	16,18,
	DIFFERENTIALLY EXPRESSED CNDAS IN P53-INDUCED APOPTOSIS: ACTIVATION OF THE VERTEBRATE HOMOLOGUE OF THE DROSOPHILA SEVEN IN ABSENTIA GENE" PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF USA, vol. 93, no. 9, 30 avril 1996 (1996-04-30), pages 3953-3957, XP002032914 ISSN: 0027-8424	21,22
X	WO 95 20654 A (CANCER RES INST ROYAL; WILLISON KEITH ROBERT (GB); KUBOTA HIROSHI) 3 août 1995 (1995-08-03) abrégé figure 8E revendications 1-28	1,8-20
X	DATABASE GENBANK 'Online! Accession No. AA935282, 23 juin 1998 (1998-06-23) STRAUSBERG R.: "EST; H. sapiens cDNA clone IMAGE:1556458" XP002104346 * comparez avec la séq. 2 du dossier soumis *	1,8-14
X	DATABASE GENBANK 'Online! Accession No. AI022498, 19 juin 1998 (1998-06-19) STRAUSBERG R.: "EST; H. sapiens cDNA clone IMAGE:1650253, similar to T-complex protein 1 (TCP-1) epsilon subunit." XP002104347 * comparez avec la séq. 1 du dossier soumis *	1,8-14
A	NEMANI M. ET AL: "ACTIVATION OF THE HUMAN HOMOLOGUE OF THE DROSOPHILA SINA GENE IN APOPTOSIS AND TUMOR SUPPRESSION" PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF USA, vol. 93, no. 17, 20 août 1996 (1996-08-20), pages 9039-9042, XP000611649 cité dans la demande	1-25
	-/	

3

RAPPORT DE RECHERCHE INTERNATIONALE



		PC1/FR 99	701473
C.(suite) D	OCUMENTS CONSIDERES COMME PERTINENTS		
Catégorie °	Identification des documents cités, avec, le cas échéant, l'Indicationdes passages	pertinents	no. des revendications visées
A	ROPERCH J.P. ET AL.: "Inhibition of presentlin-1 expression is promoted by p53 and p21/WAF1 and results in apoptosis and tumor suppression." NATURE MEDICINE, vol. 4, no. 7, juillet 1998 (1998-07), pages 835-838, XP002104344 cité dans la demande le document en entier		1-25
	ISRAELI D. ET AL.: "A novel p53-inducible gene, PAG608, encodes a nuclear zinc finger protein whose overexpression promotes apoptosis." EMBO J., vol. 16, no. 14, 1997, pages 4384-4392, XP002104345 le document en entier		1–25
	LINARE-CRUZ G. ET AL.: "p21WAF-1 reorganizes the nucleus in tumor suppression" PROC. NATL. ACAD. SCI. USA, vol. 95, no. 3, 3 février 1998 (1998-02-03), pages 1131-1135, XP002118217 le document en entier		1-25
			·

3

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

ation on patent family members

national Application No PCT/FR 99/01479

Patent document cited in search repor	t	Publication date		Patent family member(s)	Publication date
WO 9722695	A	26-06-1997	FR FR CA EP	2742766 A 2747691 A 2240449 A 0868512 A	27-06-1997 24-10-1997 26-06-1997 07-10-1998
WO 9520654	Α	03-08-1995	AU CA EP JP	1541395 A 2182499 A 0742822 A 10500001 T	15-08-1995 03-08-1995 20-11-1996 06-01-1998

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER IPC 6 C12N15/12 C12N1/21

C12N1/19

C07K14/47

C07K16/18

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

B. FIELDS SEARCHED

 $\begin{array}{ll} \text{Minimum documentation searched} & \text{(classification system followed by classification symbols)} \\ \text{IPC 6} & \text{C12N} & \text{C07K} \end{array}$

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practical, search terms used)

C. DOCUM	IENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT	
Category *	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	NUCLEIC ACIDS RESEARCH, vol. 19,no. 22, 25 November 1991 IRL PRESS LIMITED,OXFORD,ENGLAND, pages 6123-6127, C. HÖÖG 'Isolation of a large number of novel mammalian genes by a differential cDNA library screening strategy' accession no.X61852	1,4-7
	-/	
	·	

Further documents are listed in the continuation of box C.	Patent family members are listed in annex.
* Special categories of cited documents: A* document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance B* earlier document but published on or after the international filing date L* document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified) O* document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means P* document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed	"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention "X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art. "&" document member of the same patent family
Date of the actual completion of the international search 1 June 1995	Date of mailing of the international search report - 3. 07. 95
Name and mailing address of the ISA European Patent Office, P.B. 5818 Patentiaan 2 NL - 2280 HV Rijswijk Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo ni, Fax: (+31-70) 340-3016	Authorized officer Hornig, H

Form PCT/ISA/210 (second sheet) (July 1992)

C.(Continu	ation) DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT	PCT/GB 95/00192
tegory *	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
	DNA RESEARCH, vol. 1, no. 1, January 1994 KAZUSA DNA RES. UNIV.ACAD.PRESS,INC.,TOKYO,JP, page 27-35 N. NOMURA ET AL. 'Prediction of the coding sequences of unidentified human genes I. The coding sequences of 40 new genes (KIAA0001-KIAA0040) deduced by analysis of randomly sampled cDNA clones from human immature myeloid cell line KG-1' accession no. D13627	19,20
	NATURE GENETICS, vol. 4, July 1993 NATURE PUBLISHING CO., NEW YORK, US, pages 256-267, M.D. ADAMS ET AL. '2,400 new expressed sequence tags identify diversity of transcripts in human brain' accession no. T06605	19,20
, x	PROC. NATL.ACAD SCI., vol. 89,no. 13, 1 July 1991 NATL. ACAD SCI.,WASHINGTON,DC,US;, pages 6060-6064, G.B. SEGEL ET AL. 'Isolation of a gene encoding a chaperonin-like protein by complementation of yeast amino acid transport mutants with human cDNA' cited in the application accession no. P40227 see figure 4	19,20
	WO,A,93 25681 (UNIV NEW YORK) 23 December 1993	13
	see page 12, line 9 - page 13, line 24; claims 1-38	22-24
	GENE, vol. 120,no. 2, 21 October 1992 ELSEVIER SCIENCE PUBLISHERS, B.V., AMSTERDAM, NL;, pages 207-215, H. KUBOTA ET AL. 'Structure and expression of the gene encoding mouse t-complex polypeptide (Tcp-1)' the whole document	1-28

Form PCT/ISA/210 (continuation of second sheet) (July 1992)

1

		PCT/GB 9	3/00132
	ation) DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
Category *	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	. 2	Relevant to claim No.
A	GENE, vol. 105,no. 2, 15 September 1991 ELSEVIER SCIENCE PUBLISHERS,B.V.,AMSTERDAM,NL;, pages 269-273, H. KUBOTA ET AL. 'Nucleotide sequence of mouse Tcp-1 cDNA' cited in the application the whole document		1-28
Р, Х	CURR. BIOL. (1994), 4(2), 89-99 CODEN: CUBLE2; ISSN: 0960-9822, 1994 KUBOTA, HIROSHI ET AL 'Identification of six Tcp-1-related genes encoding divergent subunits of the TCP-1-containing chaperonin' cited in the application see page 90, right column, line 4 - page 97, right column, line 5; figures 1-7		1-21
, A	BIOCHIMICA BIOPHYSICA ACTA, vol. 1217, 1 March 1994 ELSEVIER SCIENCE, AMSTERDAM, NL, pages 224-226, E.C. JOLY ET AL. 'cDNA encoding a novel TCP-1 related protein' accession no. P80318 (CCT-gamma) see figure 1		13,14, 16,21

Form PCT/ISA/210 (continuation of second sheet) (July 1992)

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

infor. ion on patent family members

Inter Vinal Application No
PCT/GB 95/00192

		PCT/	GB 95/00192
Patent document cited in search report	Publication date	Patent family member(s)	Publication date
WO-A-9325681	23-12-93	NONE	
MO_W_A352981	23-12-93 	NONE	*

Form PCT/ISA/210 (patent family annex) (July 1992)

Na

TRAITE DE COOPERATION EN MATIERE DE BREVETS

PCT

REC'D 09 NOV 2000

RAPPORT D'EXAMEN PRELIMINAIRE INTERNATIONALPOT

(article 36 et règle 70 du PCT)

5

Référence mandataire 340063/	•	ssier du déposant ou du 3	POUR SUITE A DO	ONNER		ication de transmission du rapport d'examen e international (formulaire PCT/IPEA/416)
Demande i	nterna	tionale n°	Date du dépot internatio	nal <i>(jour/m</i>	ois/année)	Date de priorité (jour/mois/année)
PCT/FR	99/01	479	18/06/1999			05/08/1998
Classificati C12N15		ernationale des brevets (CIB) ou à la fois classification	nationale e	et CIB	
Déposant FONDA	ΓΙΟΝ	JEAN DAUSSET-CEF	PH et al.			
		rapport d'examen prélim al, est transmis au dépos				on chargée de l'examen préliminaire
2. Ce R.	APPO	ORT comprend 8 feuilles,	y compris la présente	feuille de	couverture.	
é l' a	eté mo admir admin	difiées et qui servent de	base au présent rappo amen préliminaire inter	rt ou de f	euilles conte	es revendications ou des dessins qui ont enant des rectifications faites auprès de 70.16 et l'instruction 607 des Instructions
Ces	annex	es comprendent leunies	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·			
3. Le pr	ésent	rapport contient des ind	ications relatives aux p	oints suiv	ants:	
	\boxtimes	Base du rapport				
11						
111		Absence de formulation d'application industrielle		ouveauté	, l'activité inv	ventive et la possibilité
IV	\boxtimes	Absence d'unité de l'inv	vention			
v	Ø	Déclaration motivée se d'application industrielle	lon l'article 35(2) quant e; citations et explicatio	à la nouv ns à l'app	reauté, l'activ oui de cette c	vité inventive et la possibilité déclaration
VI		Certains documents cit	és			
VII		Irrégularités dans la de	mande internationale			
VIII	Ø	Observations relatives	à la demande internatio	onale		
Date de pre		tion de la demande d'exame	n préliminaire	Date d'a	chèvement du	u présent rapport
01/03/20	00			07.11.20	900	
	rélimin	postale de l'administration ch aire international:	argée de	Fonction	naire autorisé	GO WEST MILLERS
)	D-80	e européen des brevets 0298 Munich +49 89 2399 - 0 Tx: 523656	6 epmu d	Marino	ni, J-C	Table South
	Fax:	+49 89 2399 - 4465		N° de tél	éphone +49 8	39 2399 8563

			,
			٠
	•		
·			

I. Bas du rapp rt

1.	l'off rap	Ce rapport a été rédigé sur la base des éléments ci-après (les feuilles de remplacement qui ont été remises à l'office récepteur en réponse à une invitation faite conformément à l'article 14 sont considérées, dans le présent rapport, comme "initialement déposées" et ne sont pas jointes en annexe au rapport puisqu'elles ne contiennen pas de modifications.):						
	Des	Description, pages:						
	1-1	8	version initiale					
	Rev	vendications, N°:						
	1-2	5	version initiale					
	Des	ssins, feuilles:						
	1/2	-2/2	version initiale					
2.	Les	modifications ont e	ntrainé l'annulation :					
		de la description,	pages :					
		des revendications	• •					
		des dessins,	feuilles :					
3.			a été formulé abstraction faite (de certaines) des modifications, qui ont été considérées elà de l'exposé de l'invention tel qu'il a été déposé, comme il est indiqué ci-après					
4.	Obs	servations complém	entaires, le cas échéant :					
١V	. Al	osence d'unité de l	'invention					
1.	En	réponse à l'invitation	n à limiter les revendications ou à payer des taxes additionnelles, le déposant a					
		limité les revendica	ations.					
		payé des taxes ad	ditionnelles.					
	П	pavé des taxes ad	ditionnelles sous réserve.					

RAPPORT D'EXAMEN PRELIMINAIRE INTERNATIONAL

Demande internationale n° PCT/FR99/01479

		ni limité les revendications ni pa	ayé des	tax s additionne	lles.				
2.	L'administration chargée de l'examen préliminaire international estime qu'il n'est pas satisfait à l'exigence d'unité d'invention et décide, conformément à la règle 68.1, de ne pas inviter le déposant à limiter les revendications ou à payer des taxes additionnelles.								
3.		L'administration chargée de l'examen préliminaire international estime que, aux termes des règles 13.1,13.2 et 13.3,							
		il est satisfait à l'exigence d'unit	té de l'ir	nvention.					
	×	il n'est pas satisfait à l'exigence	d'unité	de l'invention, et	ce pour les raisons suivar	ntes :			
		voir feuille séparée							
4. En conséquence, les parties suivantes de la demande internationale ont fait l'objet d'un examen printernational lors de la formulation du présent rapport :						n examen préliminaire			
	Ø	toutes les parties de la demand	le.						
		☐ les parties relatives aux revendications nos .							
					÷				
V.		claration motivée selon l'article oplication industrielle; citation				et la possibilité			
1.	Déc	claration			·				
	Nou	uveauté		Revendications Revendications					
	Acti	ivité inventive		Revendications Revendications	· · - · · -				
	Pos	ssibilité d'application industrielle		Revendications Revendications					
2.	Cita	ations et explications							
	voii	r feuille séparée							

VIII. Observations relatives à la demande internationale

Les observations suivantes sont faites au sujet de la clarté des revendications, de la description et des dessins et de la question de savoir si les revendications se fondent entièrement sur la description :

voir feuill sépar

Concernant le point IV

Absence d'unité de l'invention

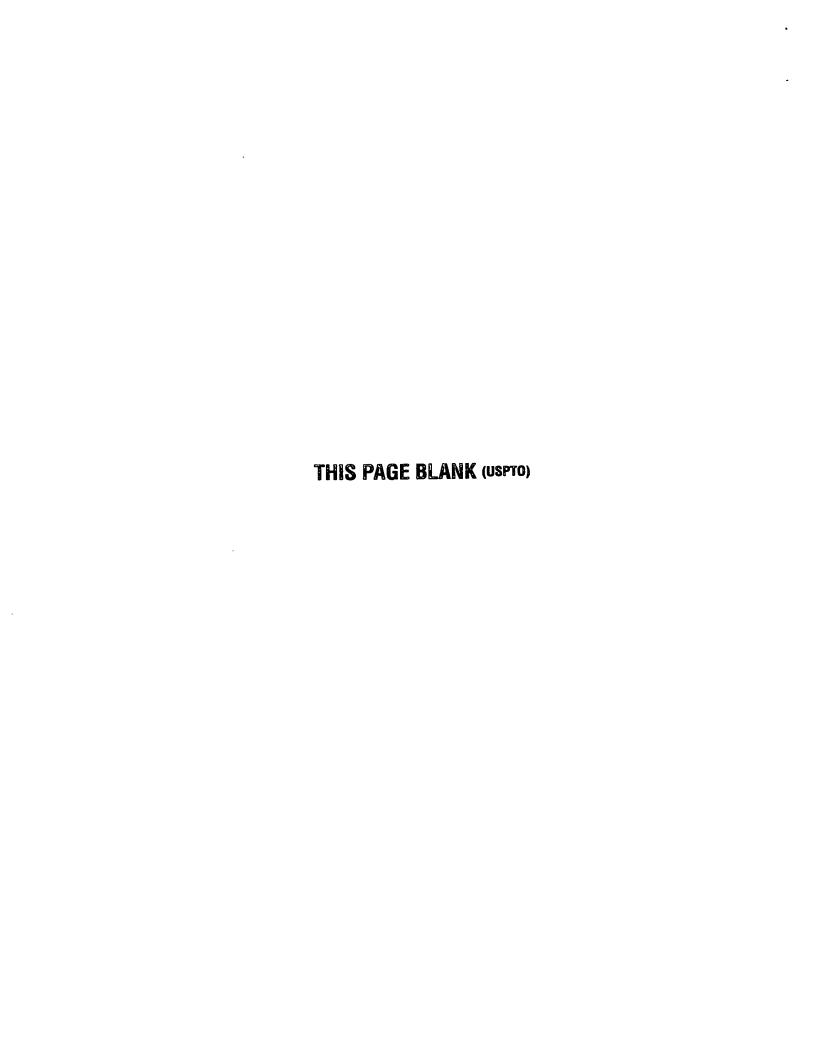
- Chacune des 15 séquences revendiquées, les vecteurs les comprenant, les 1. cellules contenant ces vecteurs, etc... forment autant de groupes d'inventions différents. La présente demande contient donc 15 groupes d'inventions distincts.
- Ces groupes d'inventions ne sont pas liés entre eux de telle sorte qu'ils ne 2. forment qu'un seul concept inventif général (règle 13.1 PCT), et ce pour les raisons suivantes:
 - (a) La caractéristique technique commune aux inventions identifiées réside dans le fait que l'expression des gènes en question est soit inhibée, soit induite lors de l'apoptose ou de la suppression tumorale. Cependant, de tels gènes, identifiés selon la même méthode que les gènes de la présente demande (cf. D3, page 9041, paragraphe "Models of tumor suppression and activation of HUMSIAH"; voir également D5 et D6), sont déjà connus (voir l'objection soulevée au point V-1(3)).
 - Par ailleurs, l'objet de la revendication indépendante 1 est déjà connu (cf. (b) les motifs de cette objection).

Concernant le point V

Déclaration motivée selon l'article 35(2) quant à la nouveauté, l'activité inventive et la possibilité d'application industrielle; citations et explications à l'appui de cette déclaration

Il est fait référence aux documents suivants:

- D1: DATABASE GENBANK Accession No. AA935282, 23 juin 1998
- D2: DATABASE GENBANK Accession No. Al022498, 19 juin 1998
- D3: PROC. NATL. ACAD. SCI. USA, Vol. 93, Août 1996, pages 9039-9042, Nemani et al. 'Activation of the human homologue of the Drosophila sina gene in apoptosis and tumor suppression'
- D4: NATURE MEDICINE, Vol. 4, No.7, Juillet 1998, pages 835-838, Roperch et al. 'Inhibition of presentilin 1 expression is promoted by p53 and p21^{waf-1} and results in



apoptosis and tumor suppression'

D5: WO 97/22695, 26 juin 1997

D6: PROC. NATL. ACAD. SCI. USA, Vol. 93, Avril 1996, pages 3953-3957, Amson et al. 'Isolation of 10 differentially expressed cDNAs in p-53-induced apoptosis: activation of the vertebrate homologue of the *Drosophila* seven in absentia gene'

- L'objet de la revendication 1 ne satisfait pas les exigences de nouveauté de l'Article 33(2) PCT pour les raisons suivantes:
 - (1) D1 décrit une séquence nucléique qui possède 96,2% d'identité avec la séquence IND SEQ No.3. En conséquence, et compte tenu de l'objection soulevée au point VIII-3, la séquence de D1 s'hybride à la séquence complémentaire de IND SEQ No:3.
 - (2) De même **D2** décrit une séquence nucléique qui possède 97,9% d'identité avec la séquence IND SEQ No:3. En conséquence, et compte tenu de l'objection soulevée au **point VIII-3**, la séquence de **D2** s'hybride à la séquence complémentaire de IND SEQ No:3.
 - (3) Lors de l'apoptose et de la suppression cellulaire, l'expression des gènes TSAP1 à 8 est induite et l'expression des gènes TSIP1 et TSIP2 est inhibée (cf. D5, résumé; D6). Pour TSAP3 voir également D3, page 9040, paragraphe "HUMSIAH and physiological Apoptosis" et page 9041, paragraphe "Models of tumor suppression and activation of HUMSIAH". Pour TSIP2 (presenilin 1) voir également D4, résumé. De même, le gène p53 est réexprimé dans la lignée KS (voir la description, page 11, lignes 27-28). Le gène p53 n'est de toute évidence pas nouveau.
 - (4) La séquence nucléique TSAP13 étendue (IND SEQ No:5) est partiellement identique à la séquence de la sous-unité p40.5 du protéasome 26S humain. De même, la séquence nucléique TSAP21 étendue (IND SEQ No:13) est partiellement identique à la séquence de la syntaxine 11 (cf. page 8, lignes 8-15). Ces deux gènes connus ont une séquence qui s'hybride à la séquence complémentaire de TSAP13 et TSAP21 respectivement.
- 2. Les r vendications dépendantes 2-7 ne contiennent aucune caractéristique qui,



en combinaison avec celles de l'une quelconque des revendications auxquelles elles se réfèrent, définisse un objet qui satisfasse aux exigences du PCT en ce qui concerne la nouveauté.

- 3. Le bénéfice de l'activité inventive ne peut être accordé à des vecteurs comprenants des séquences d'ADN connues, des cellules contenant lesdits vecteurs, les protéines obtenues après culture des dites cellules, etc... En conséquence, l'objet des revendications 8-14 ne répond pas aux exigences de l'Article 33(3) PCT concernant l'activité inventive.
- 4. De manière générale, la brevetabilité d'une nouvelle séguence nucléique est subordonnée à l'identification d'une fonction du gène ou de son produit qui permettrait de résoudre un problème technique donné (Articles 5 et 33(3) PCT pris conjointement). Comme expliqué au point IV-2(a), dans la présente demande, le problème technique sous-jacent réside simplement dans le clonage de nouvelles séquences dont l'expression est soit inhibée soit induite lors de l'apoptose et/ou de la suppression tumorale. A la lecture de **D6** (avant-dernier paragraphe), il semble évident que de nombreux gènes de ce type restaient encore à découvrir. En étant incité, grâce à D6, à appliquer les techniques décrites, l'homme du métier aurait identifié les séquences revendiquées.

En conséquence, une activité inventive ne peut être reconnue pour les protéines revendiquées, les vecteurs ou les séquences qui les codent, ni pour leur utilisation à titre de médicament, d'agent de diagnostique ou autre (revendications 1-25).

5. De plus, la fonction d'aucune des séquences revendiquées n'a été mise en évidence (IND SEQ No:1-15). La simple hypothèse que ces gènes sont "de potentiels gènes suppresseurs" n'est pas suffisante et ne constitue pas la preuve qu'une fonction a été identifiée. Par ailleurs, certaines des séquences revendiquées sont des EST (cf. Tableau 1 par exemple, mais aussi les IND SEQ No.1, 3, 4, 6, 8, 9, 10, 12 et 15 au moins, qui sont de toute évidence des séquences incomplètes). En conséquence, la brevetabilité de ces séquences pourrait éventuellement être mise en doute au cours de la phase régionale.

Concernant I point VIII

Observations relatives à la demande internationale

- Les séquences revendiquées par exemple dans la revendication 1 ne sont limitées par aucune caractéristique fonctionelle, étendant de façon indue la portée des revendications, contrairement aux exigences de l'Article 6 PCT.
- 2. Les **revendications 1, 3 et 5** contiennent une référence à des "gènes équivalents". Ce terme est vague et ne permet pas de définir clairement les gènes en question (Article 6 PCT).
- 3. La revendication 1, point (b), contient une référence à "une séquence s'hybridant avec l'une des séquences selon (a)". Par définition, une telle séquence complémentaire ne code pas pour une protéine possédant la fonction des protéines codées par les séquences revendiquées en (a). L'objet de la revendication 1 n'est donc pas clair (Article 6 PCT). Pour l'établissement de la présente opinion, il est considéré que les séquences revendiquées doivent d'hybrider avec la séquence complémentaire de l'une des séquences 1 à 15.
- 4. Le point (d) de la **revendication 4** concerne toute "séquence caractérisée en ce que l'expression cellulaire du gène est induite ou inhibée lors de l'apoptose et/ou de suppression tumorale". L'intitulé du point (d) est vague et ne limite pas suffisamment l'objet pour lequel une protection est recherchée (Article 6 PCT). Il en découle l'objection de nouveauté émise sous le **point V-1(3)**.
- 5. La **revendication 3** contient une référence à "TSAP9 à TSAP22". Ces termes n'ont aucune signification pour l'homme du métier. Ils ne permettent donc pas de caractériser les séquences revendiquées (Article 6 PCT).
- 6. De même, la **revendication 5** contient une référence à "TSIP3". Ce terme n'a aucune signification pour l'homme du métier. Il ne permet donc pas de caractériser la séquence revendiquée (Article 6 PCT).
- 7. Le libellé de la **revendication 7** est confus (que sont des "transfectants p21, TSAP3 et antisens TSIP2" ?): il en résulte que l'objet pour lequel une protection



est recherché n'est pas clair (Article 6 PCT).

- 8. L'intitulé des **revendications 15-24** n'est pas conforme aux exigences de l'Article 6 PCT en combinaison avec la Règle 6.3(b) PCT.
- 9. L'intitulé de la **revendication 25** n'est pas clair, ce qui introduit un doute quant l'objet pour lequel une protection est recherché (Article 6 PCT). Par ailleurs, les modèles en question sont pour le moins succintement décrits dans la présente demande (cf. page 6, lignes 30-31), pouvant entraîner dans la phase régionale des objections quant au fondement (Article 6 PCT) et à la suffisance de la divulgation (Article 5 PCT).



Translation



PCT

INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

(PCT Article 36 and Rule 70)

Applicant's or agent's file reference 340063/16333 FOR FURTHER ACTION See Notification of Transmittal of Internet Preliminary Examination Report (Form PCT/IPEA)					
International application No. PCT/FR99/01479	International filing dat 18 June 1999		Priority date (day/month/year) 05 August 1998 (05.08.98)		
International Patent Classification (IPC) or national classification and IPC C12N 15/12					
Applicant MOI	LECULAR ENGIN	ES LABORATOI	RIES		
This international preliminary exar Authority and is transmitted to the ap	 This international preliminary examination report has been prepared by this International Preliminary Examining Authority and is transmitted to the applicant according to Article 36. 				
2. This REPORT consists of a total of	8 sheets,	including this cover s	heet.		
This report is also accompan been amended and are the ba (see Rule 70.16 and Section)	isis for this report and/or	sheets containing re	ion, claims and/or drawings which have ctifications made before this Authority the PCT).		
These annexes consist of a to	otal of si	heets.			
3. This report contains indications relati	ing to the following item	ns:			
I Basis of the report					
II Priority	II Priority				
III Non-establishment	III Non-establishment of opinion with regard to novelty, inventive step and industrial applicability				
IV Lack of unity of inv	IV Lack of unity of invention				
Reasoned statement under Article 35(2) with regard to novelty, inventive step or industrial applicability; citations and explanations supporting such statement					
VI Certain documents cited					
VII Certain defects in the international application					
VIII Certain observations on the international application					
·					
Date of submission of the demand Date of completion of this report					
01 March 2000 (01.03.00)		07 November 2000 (07.11.2000)			
Name and mailing address of the IPEA/EP	,	Authorized officer			
Facsimile No.	, 1	Геlерhone No.			



International application No.

PCT/FR99/01479

I. Basis of the report					
1. This report has been drawn on the basis of (Replacement sheets which have been furnished to the receiving Office in response to an invitation under Article 14 are referred to in this report as "originally filed" and are not annexed to the report since they do not contain amendments.):					
		the international	application a	s originally filed.	
	\boxtimes	the description,	pages	1-18	_, as originally filed,
			pages		_, filed with the demand,
			pages		_, filed with the letter of,
			pages	<u> </u>	_, filed with the letter of
[\boxtimes	the claims,	Nos	1-25	_ , as originally filed,
			Nos		, as amended under Article 19,
			Nos		_, filed with the demand,
			Nos		, filed with the letter of,
			Nos		_ , filed with the letter of
	\boxtimes	the drawings,	sheets/fig	1/2-2/2	_ , as originally filed,
			sheets/fig _		_ , filed with the demand,
			sheets/fig _		_ , filed with the letter of ,
			sheets/fig		, filed with the letter of
2. The an	nendr	ments have resulte	ed in the cance	ellation of:	
		the description,	pages	'. 	
		the claims,	Nos		
[the drawings,	sheets/fig		
3.	This i	report has been es beyond the disclo	tablished as if	f (some of) the am as indicated in the	endments had not been made, since they have been considered Supplemental Box (Rule 70.2(c)).
		observations, if ne			
				• .:	
				·	



international application No.

PCT/FR99/01479

IV. Lack of unity of invention
1. In response to the invitation to restrict or pay additional fees the applicant has:
restricted the claims.
paid additional fees.
paid additional fees under protest.
neither restricted nor paid additional fees.
2. This Authority found that the requirement of unity of invention is not complied with and chose, according to Rule 68.1, not to invite the applicant to restrict or pay additional fees.
3. This Authority considers that the requirement of unity of invention in accordance with Rules 13.1, 13.2 and 13.3 is
complied with.
not complied with for the following reasons:
See separate sheet.
 Consequently, the following parts of the international application were the subject of international preliminary examination in establishing this report:
all parts.
the parts relating to claims Nos.

Supplemental Box

(To be used when the space in any of the preceding boxes is not sufficient)

Continuation of: IV

3.

- Each of the 15 claimed sequences, the vectors comprising same, the cells containing these vectors and so on all form different groups of inventions. The present application therefore contains 15 distinct groups of inventions.
- These groups of inventions are not so linked as to form a single general inventive concept (PCT Rule 13.1), for the following reasons:
 - (a) The technical feature common to the identified inventions lies in the fact that the expression of the genes in question is either inhibited or induced during apoptosis or tumour suppression. However, such genes, identified by the same method as the genes of the present application (cf. D3, page 9041, paragraph "Models of tumor suppression and activation of HUMSIAH"; see also D5 and D6) are already known (see the objection raised in Box V-1(3)).
 - (b) Furthermore, the subject matter of independent Claim 1 is already known (cf. the reasons for this objection).

ernational application No.
PCT/FR 99/01479

V. Reasoned statement under Article 35(2) with regard to novelty, inventive step or industrial applicability; citations and explanations supporting such statement

Statement			
Novelty (N)	Claims	8-24	YES
	Claims	1-7	NO
Inventive step (IS)	Claims	NONE	YES
	Claims	1-24	NO
Industrial applicability (IA)	Claims	1-24	YES
	Claims	NONE	NO

2. Citations and explanations

Reference is made to the following documents:

- D1: DATABASE GENBANK Accession No. AA935282, 23 June 1998;
- D2: DATABASE GENBANK Accession No. AI022498, 19 June 1998;
- PROC. NATL. ACAD. SCI. USA, Vol.93, August 1996, pages 9039-9042, Nemani et al. 'Activation of the human homologue of the *Drosophila sina* gene in apoptosis and tumor suppression';
- NATURE MEDICINE, Vol.4, No.7, July 1998, pages 835-838, Roperch et al. 'Inhibition of presentilin 1 expression is promoted by p53 and p21^{waf-1} and results in apoptosis and tumor suppression';
- **D5**: WO-A-97/22695, 26 June 1997;
- PROC. NATL. ACAD. SCI. USA, Vol.93, April 1996, pages 3953 to 3957, Amson et al.: 'Isolation of 10 differentially expressed cDNAs in p-53-induced apoptosis: activation of the vertebrate homologue of the *Drosophila* seven in absentia gene'.
- The subject matter of Claim 1 does not satisfy the requirements of novelty of PCT Article 33(2) for the following reasons:



- (1) **D1** describes a nucleic sequence which is 96.2% identical to the sequence IND SEQ No.3. Consequently, taking into account the objection raised in ${f Box\ VIII-3}$, the sequence of ${f D1}$ is hybridized with the complementary sequence of IND SEO No: 3.
- (2) Similarly, D2 describes a nucleic sequence which is 97.9% identical to the sequence IND SEQ No: 3. Consequently, taking into account the objection raised in Box VIII-3, the sequence of D2 is hybridized with the complementary sequence of IND SEQ No:3.
- (3) During apoptosis and cellular suppression, the expression of the genes TSAP1 to 8 is induced and the expression of the genes TSIP1 and TSIP2 is inhibited (cf. D5, abstract; D6). For TSAP3, see also D3, page 9040, paragraph "HUMSIAH and physiological Apoptosis" and page 9041, paragraph "Models of tumor suppression and activation of HUMSIAH". For TSIP2 (presenilin 1) see also **D4**, abstract. Similarly, the p53 gene is re-expressed in the line KS (see description, page 11, lines 27 to 28). The p53 gene is obviously not novel.
- (4) The extended nucleic sequence TSAP13 (IND SEQ No:5) is partially identical to the sequence of the sub-unit p40.5 of the human proteasome 26S. Similarly, the extended nucleic sequence TSAP21 (IND SEQ No:13) is partially identical to the sequence of syntaxin 11 (cf. page 8, lines 8 to 15). These two known genes have a sequence which is hybridized with the complementary

nternational application No. PCT/FR 99/01479

sequence of TSAP13 and TSAP21 respectively.

- Dependent Claims 2 to 7 do not contain any features which, in combination with those of any one of the claims to which they refer, define a subject satisfying the requirements of the PCT as regards novelty.
- 3. Inventive step cannot be acknowledged for vectors comprising known DNA sequences, cells containing said vectors, the proteins obtained following the culture of said cells and so on. Consequently, the subject matter of **Claims 8 to 14** does not meet the requirements of PCT Article 33(3) as regards inventive step.
- In general terms, the patentability of a novel 4. nucleic sequence is subject to the identification of a function of the gene or of its product which would enable a given technical problem to be solved (PCT Articles 5 and 33(3) considered in combination). As explained in $Box\ IV-2(a)$, in the present application the underlying technical problem simply lies in the cloning of novel sequences, the expression of which is either inhibited or induced during apoptosis and/or tumour suppression. In the light of D6 (penultimate paragraph), it appears obvious that numerous genes of this type still remained to be discovered. Being encouraged by ${\bf D6}$ to apply the techniques described, a person skilled in the art would have identified the claimed sequences.

Consequently, an inventive step cannot be acknowledged for the claimed proteins, or the vectors or sequences encoding same, nor for their

International application No. PCT/FR 99/01479

use as a drug, a diagnostic agent or otherwise (Claims 1 to 25).

5. Furthermore, the function of <u>none</u> of the claimed sequences has been demonstrated (IND SEQ No:1-15). The simple hypothesis that these genes are "potential suppressor genes" is insufficient and does not constitute proof that a function has been identified. In addition, some of the claimed sequences are ESTs (cf. Table 1 for example, but also IND SEQ Nos. 1, 3, 4, 6, 8, 9, 10, 12 and 15 at least, which are obviously incomplete sequences). Consequently, the patentability of these sequences could possibly be brought into question during the regional phase.

VIII. Certain observations on the international application

The following observations on the clarity of the claims, description, and drawings or on the question whether the claims are fully supported by the description, are made:

- The sequences claimed for example in Claim 1 are not limited by any functional feature, thereby unnecessarily extending the scope of the claims, contrary to the requirements of PCT Article 6.
- Claims 1, 3 and 5 contain a reference to "equivalent genes". This term is vague and does not define the genes in question clearly (PCT Article 6).
- 3. Claim 1, paragraph (b), contains a reference to "a sequence hybridizing with one of the sequences according to (a)". By definition, such a complementary sequence does not code for a protein having the function of the proteins coded by the sequences claimed in (a). The subject matter of Claim 1 is therefore unclear (PCT Article 6). In drawing up the present report, it has been considered that the claimed sequences must hybridize with the complementary sequence of one of sequences 1 to 15.
- 4. Paragraph (d) of Claim 4 relates to any "sequence characterized in that the cellular expression of the gene is induced or inhibited during apoptosis and/or tumour suppression". The wording of (d) is vague and does not limit sufficiently the subject matter for which protection is sought (PCT Article 6). This leads to the objection regarding novelty raised in Box V-1(3).
- 5. Claim 3 contains a reference to "TSAP9 to TSAP22".

VIII. Certain observations on the international application

These terms have no meaning for a person skilled in the art. They do not therefore characterize the claimed sequences (PCT Article 6).

- 6. Similarly, **Claim 5** contains a reference to "TSIP3". This term has no meaning for a person skilled in the art. It does not therefore characterize the claimed sequence (Claim 6).
- 7. The wording of **Claim 7** is confusing (what are "p21, TSAP3 and anti-sense TSIP2 transfectants"?): as a result, the subject matter for which protection is sought is unclear (PCT Article 6).
- 8. The wording of **Claims 15 to 24** does not meet the requirements of PCT Article 6 in combination with PCT Rule 6.3(b).
- 9. The wording of Claim 25 is unclear, thereby giving rise to doubt as regards the subject matter for which protection is sought (PCT Article 6).

 Furthermore, the models in question are to say the least succinctly described in the present application (cf. page 6, lines 30-31), which might lead to objections in the regional phase regarding support (PCT Article 6) and as to whether the disclosure is sufficiently clear (PCT Article 5).

WO 00/08147 PCT/FR99/01479

GENES IMPLIQUES DANS LES VOIES MOLECULAIRES DE LA SUPPRESSION TUMORALE ET/OU LA RESISTANCE AUX VIRUS

La présente invention concerne la mise en évidence de gènes impliqués dans les voies moléculaires de la suppression tumorale et/ou de la résistance aux virus.

5

10

15

20

25

30

La présente invention a été rendue possible par l'isolement d'ADNc correspondant à des ARN messagers exprimés ou réprimés lors de la suppression tumorale et/ou lors du processus d'apoptose induit par le gène suppresseur p53.

L'un des gènes suppresseurs les plus importants impliqués dans l'apoptose est le gène p53. Dans sa fonction normale, ce gène contrôle la croissance cellulaire et le processus d'apoptose; en particulier, c'est ce gène qui bloque la croissance cellulaire et qui doit induire le processus apoptotique afin d'éviter le développement d'un cancer. On a ainsi mis en évidence que des souris nullizygotes pour le p53 étaient beaucoup plus sensibles à la formation de tumeurs. On a également mis en évidence le fait que, dans les cancers, le gène p53 était très souvent altéré et conduisait à la production de protéines incapables de véhiculer le message d'apoptose.

C'est cette particularité qui a été mise en œuvre dans le cadre de la présente invention.

En effet, la présente invention repose sur la constatation qu'il n'est pas possible, ou du moins qu'il paraît très difficile, de mettre en place une thérapie de substitution directe lors d'un dysfonctionnement du gène p53. En effet, le p53 muté comme il l'est dans le cancer va annuler l'effet physiologique du p53 normal.

Il a donc fallu renoncer, du moins dans un premier temps, à une thérapie de substitution agissant directement au niveau de p53.

La présente invention s'est donc attachée à étudier les gènes situés en amont et en aval de p53 afin de « bipasser » la difficulté évoquée précédemment.

Afin d'isoler les gènes activés ou inhibés par le p53 normal (wild-type p53) on a effectué un ratissage global de l'expression des gènes dans une lignée maligne (K562) et une cellule dérivée (KS) avec une suppression du phénotype

10

15

20

30

malin, plus particulièrement dans une cellule exprimant le p53 normal (KS) dans sa fonction et dans une cellule n'exprimant pas de p53 (K562). La comparaison des gènes exprimés (ARN messagers exprimés dans les deux types de cellule) a permis de mettre en évidence des gènes exprimés différentiellement, c'est-à-dire exprimés dans l'une des cellules alors qu'ils ne le sont pas dans l'autre (les gènes peuvent être activés ou inhibés).

On en déduit aisément que ces gènes sont impliqués dans le processus de cancérisation, dans un cas par leur absence, et, dans l'autre cas, par leur présence.

Pour cette étude différentielle, la méthode utilisée est la méthode décrite en 1992 par Liang et Pardee (Differential display o eucaryotic mRNA by mean of a polymerase chaine reaction).

L'approche du problème selon la présente invention a permis d'isoler des séquences directement reliées à une fonction. Dès lors, au contraire du séquençage aléatoire des EST, les séquences sont des séquences dont la fonction est connue et qui sont impliquées dans le processus de suppression du phénotype malin et/ou d'apoptose induit par le gène suppresseur p53 et/ou dans la résistance aux virus.

Ainsi, la présente invention concerne de nouvelles séquences et les gènes les comportant ainsi que l'utilisation de ces séquences, tant au niveau du diagnostic qu'au niveau de la thérapie, de même que pour la réalisation de modèles destinés à tester des produits anti-cancéreux et anti-viraux.

La présente invention concerne tout d'abord une séquence nucléotidique correspondant à un gène comportant :

- (a) une séquence selon l'une des IND.SEQ 1 à 15 ou un gène équivalent qui comporte:
- 25 (b) une séquence s'hybridant avec l'une des séquences selon (a),
 - (c) une séquence présentant au moins 80 % d'homologie avec (a) ou (b), ou
 - (d) une séquence codant pour une protéine codée par un gène selon (a), (b) ou (c) ou pour une protéine équivalente,

et leur application notamment dans la suppression du cancer et/ou la résistance aux virus ainsi que dans le suivi thérapeutique.

Il convient de rappeler que les séquences 1 à 15 ne constituent qu'une partie des gènes en cause mais que la présente invention couvre aussi bien la

15

20

25

séquence nucléotidique correspondant au gène entier que des fragments de ce gène, notamment lorsqu'ils codent pour une protéine équivalente comme cela sera décrit ci-après.

Les séquences nucléotidiques peuvent être aussi bien de l'ADN que de l'ARN ou des séquences dans lesquelles certains des nucléotides sont non naturels, soit pour améliorer leurs propriétés pharmacologiques, soit pour permettre leur identification.

Les séquences mentionnées en (b) sont essentiellement les séquences complémentaires totales ou partielles (notamment pour les cas évoqués précédemment).

Ainsi, l'invention concerne également les séquences nucléotidiques des gènes présentant une forte homologie avec les gènes mentionnés précédemment, de préférence une homologie supérieure à 80 % sur les parties essentielles desdits gènes, soit en général au moins 50 % de la séquence, de préférence l'homologie sera sur ces parties supérieure à 90 %.

Enfin, lorsque lesdits gènes codent pour une protéine, la présente invention concerne également les séquences codant pour la même protéine, compte tenu de la dégénérescence du code génétique, mais également pour les protéines équivalentes, c'est-à-dire produisant les mêmes effets, notamment les protéines délétées et/ou ayant subi des mutations ponctuelles.

Les séquences selon la présente invention sont plus particulièrement les séquences qui sont induites ou inhibées lors de l'apoptose cellulaire, notamment celles induites par p53 et/ou p21 et/ou TSAP3 (HUMSIAH) et/ou antisens-TSIP2 (antisens-PS1). En d'autres termes, ces séquences correspondent à des gènes dont l'expression cellulaire est activée par l'un au moins des transfectants choisi dans le groupe comprenant les transfectants p21, les transfectants TSAP3 et les transfectants anti-sens TSIP2.

Lesdits gènes sont regroupés en TSAP ou "Tumor Suppressor Activated

Pathway", et dénommés de TSAP 9 à TSAP 22 correspondant aux IND.SEQ 1 à 14, et en TSIP ou "Tumor Suppressor Inhibited Pathvay", et dénommé TSIP 3, correspondant à IND.SEQ 15.

Les caractéristiques des séquences sont rassemblées dans les tableaux ciannexés.

Les séquences nucléotidiques correspondant aux gènes TSAP sont des séquences exprimées lors du processus d'apoptose alors que lorsqu'ils ne sont pas exprimés le processus d'oncogénèse se poursuit. Il est donc intéressant:

- de détecter toute anomalie dans le gène correspondant, laquelle peut conduire à une plus grande susceptibilité à l'oncogénèse, et
- de pouvoir prévoir une thérapie de remplacement.

5

10

15

20

25

30

Il faut d'ailleurs rappeler que ces gènes peuvent intervenir dans d'autres processus que les processus de suppression tumorale; en effet, p53 est en quelque sorte le gardien de l'intégrité du génome, dans ces conditions les gènes TSAP ou TSIP sont sans doute également impliqués dans cette fonction de contrôle, c'est donc l'ensemble des altérations possibles du génome qui peuvent être redevables de la détection et de la thérapie précédente. Au contraire, les gènes TSIP sont exprimés lors de l'oncogénèse et cette expression est diminuée voire inhibée lors de l'apoptose et de la suppression tumorale, il est donc là aussi intéressant de détecter l'éventuelle anomalie des TSIP et également de prévoir une thérapie d'inhibition/blocage.

La thérapie de remplacement pourra être effectuée par thérapie génique, c'est-à-dire en introduisant le gène TSAP avec les éléments qui permettent son expression in vivo. Les principes de la thérapie génique sont connus. On peut utiliser des vecteurs particuliers, viraux ou non viraux, par exemple des adénovirus, rétrovirus, virus herpès ou poxvirus. La plupart du temps ces vecteurs sont utilisés sous forme défectifs qui serviront de véhicules d'expression de TSAP avec ou sans intégration. Les vecteurs peuvent être également synthétiques, c'est-à-dire mimer des séquences virales, ou bien être constitués par de l'ADN ou de l'ARN nu selon la technique développée notamment par la société VICAL.

15

20

25

30

Dans la plupart des cas, il faudra prévoir des éléments de ciblage assurant une expression tissus ou organes spécifiques, en effet, il n'est pas possible d'envisager d'activer un phénomène d'apoptose incontrôlé.

La présente invention concerne donc l'ensemble des vecteurs décrits précédemment.

La présente invention concerne également les cellules transformées par un vecteur d'expression tel que décrit précédemment ainsi que la protéine pouvant être obtenue par culture de cellules transformées.

Les systèmes d'expression pour produire des protéines peuvent être aussi 10 bien des systèmes eucaryotes tels que les vecteurs précédents que des systèmes procaryotes dans des cellules de bactéries.

I.'un des intérêts de la présente invention est qu'elle a mis en évidence l'implication de plusieurs gènes dans l'apoptose; ainsi, la surexpression de l'un des gènes par thérapie génique peut, pour certains d'entre eux, ne conduire à l'apoptose que les cellules dans lesquelles s'expriment déjà d'autres gènes déréglés, c'est-à-dire des cellules malignes.

La présente invention concerne également, à titre de médicament, un composé assurant l'expression cellulaire d'au moins une des séquences nucléotidiques précédentes lorsqu'elle est induite lors de l'apoptose et/ou de la suppression tumorale, notamment des gènes TSAP 9 à TSAP 22, ou au contraire assurant l'inhibition de l'expression cellulaire d'au moins une séquence cellulaire telle que décrite précédemment lorsqu'elle est inhibée lors de l'apoptose et/ou de la suppression tumorale, notamment TSIP 3. Il peut s'agir par exemple d'un nucléotide activé assurant le blocage de la séquence nucléotidique ou encore d'un anticorps monoclonal dressé contre la ou les protéine(s) codée(s) par la séquence nucléotidique.

Par ailleurs, il est possible de prévoir d'autres approches que la thérapie génique, notamment l'utilisation de séquences nucléotidiques en stratégie sens ou antisens, c'est-à-dire pouvant bloquer l'expression de TSIP ou au contraire, agissant en amont, favorisant l'expression de TSAP.

On peut également prévoir une stratégie de remplacement directe par apport de protéines correspondant à TSAP ou d'anticorps inhibiteurs

10

15

20

25

30

correspondant à TSIP.

Enfin, il est possible de prévoir l'utilisation de molécules non protéiques dont l'activité sera d'activer TSAP ou de mimer l'action de son produit d'expression ou bien d'inhiber TSIP ou bien de bloquer l'action de son produit d'expression.

Ces produits peuvent être aisément testés sur les cellules modifiées qui sont décrites dans les exemples en introduisant les produits à tester dans la culture cellulaire et en détectant l'apparition du phénomène apoptotique.

Dans les stratégies à ADN, ARN ou protéique les produits sont bien entendu élaborés en fonction des séquences qui sont décrites.

La présente invention concerne en particulier l'utilisation des médicaments précédents en tant qu'agent anti-cancéreux.

Mais le produit des gènes TSAP 9 à 22 et TSIP 3 est également utile comme agent antiviral, comme cela apparaîtra à la lecture de l'exemple.

La présente invention concerne donc également l'utilisation des médicaments précédents comme agent antiviral.

De plus, la présente invention concerne à titre d'agent de diagnostic pour la détermination de la prédisposition au cancer, tout ou partie des séquences selon l'invention à utiliser comme sonde nucléotidique ou comme amorce d'amplification, mais également à titre d'agent de diagnostic pour la détermination de la prédisposition au cancer un antigène correspondant à tout ou partie des protéines codées par la séquence selon l'invention ou les anticorps correspondants, éventuellement après culture.

Les méthodes de diagnostic sont connues, il peut s'agir, par exemple, de techniques de microséquençage des parties variables après isolement et amplification éventuelle, ou des méthodes de détection type RFLP, ou d'amplification simple notamment. Les techniques différentielles peuvent, en particulier, permettre de mettre en évidence l'écart entre le TSAP (ou TSIP) normal et anormal.

L'invention concerne également des modèles mettant en oeuvre les séquences précédentes.

Par ailleurs, il convient de souligner que les inventeurs, ont mis en

10

15

20

25

30

évidence, par extension des séquences conformes à l'invention initialement mises en évidence, des homologies présentées par lesdites séquences étendues avec des séquences correspondant à des protéines connues.

Plus particulièrement, outre l'homologie de TSAP 9 avec une chaperonine de souris contenant le gène TCP-1 (9), les inventeurs ont mis à jour une forte homologie que présente TSAP13 avec la sous-unité p40.5 du protéasome humain (10, 11) et une forte homologie que présente TSAP 21 avec la syntaxine 11 appartenant au groupe des protéines SNARE (12).

Les chaperonines interviennent dans le processus de repliement et l'assemblage des protéines dans le cytosol eucaryote. Elles sont soupçonnées de ralentir ce repliement en piégeant des intermédiaires qui s'agrégeraient sans cela. Parmi les protéines sur lesquelles agirait la chaperonine contenant le gène TCP-1 homologue de TSAP 9, on peut citer l'actine, la tubuline et la protéine de capside du virus de l'hépatite B.

Le protéasome, au même titre que l'ubiquitine, est le principal composant du système protéolytique majeur responsable de la dégradation de nombreuses protéines intracellulaires, y compris de protéines aberrantes résultant de mutations ou de stress environnementaux. La sous-unité p40.5 du protéasome 26S humain a récemment été mise en évidence, ainsi que son homologue chez la levure Nas7p. Chez l'homme, le mRNA correspondant à la susdite sous-unité est plus particulièrement exprimé dans le pancréas, le placenta, les testicules, le cœur et le muscle squelettique. Il semble par ailleurs que les cellules de levures déficientes pour Nas7p soient particulièrement sensibles au stress dû à la chaleur. Ceci contribue à suggérer que la fonction du protéasome 26S est dégradée lors d'un stress dû à la chaleur.

Les protéines SNARE (Soluble N-ethylmaleimide-sensitive factorattachment protein receptor) sont des protéines dont l'expression différentielle et les associations sont impliquées dans l'organisation des compartiments membranaires des cellules. Ces protéines sont spécifiquement localisées dans la région de l'appareil de Golgi, des endosomes et des lysosomes, ce qui suggère qu'elles jouent un rôle dans la régulation des échanges membranaires à partir de

10

15

25

30

ces organelles. Plus particulièrement, la syntaxine 11 serait localisée dans la région post-Golgi.

Il serait intéressant de pouvoir déterminer si les voies moléculaires dans lesquelles sont impliquées les séquences conformes à l'invention présentent des points communs avec les voies moléculaires dans lesquelles sont impliquées les susdites protéines, ce qui permettrait d'envisager de nouveaux modes d'action sur les susdites séquences à des fins par exemple thérapeutiques ou diagnostiques.

La Figure 1 représente la séquence de TSAP 13 étendue (SEQ ID N° 5). La partie soulignée correspond à la séquence telle que mise à jour à l'origine par les inventeurs. Les caractères gras correspondent à la séquence présentant 100 % d'homologie avec la sous-unité p40.5 du protéasome 26S humain.

La Figure 2 représente la séquence de TSAP 21 étendue (SEQ ID N° 13). La partie soulignée correspond à la séquence telle que mise à jour à l'origine par les inventeurs. Les caractères gras correspondent à la séquence présentant 100 % d'homologie avec la syntaxine 11 du groupe des protéines SNARE

D'autres caractéristiques de l'invention apparaîtront à la lecture de l'exemple ci-après.

20 MATERIELS ET METHODES

Cultures cellulaires

Les cellules K562, KS, KS2 et KS3 ont été utilisées comme modèles. La lignée K562 est une lignée tumorale, dérivée d'une leucémie chronique de type érythromyéloïde. Elle est caractérisée notamment par un chromosome de Philadelphie qui contient la translocation (9,22), où il y a un réarrangement du gène ber avec le proto-oncogène abl. Cette lignée a par ailleurs un caryotype anormal et surexprime les oncogènes myc et pim-1. Ces lignées sont décrites dans la référence A. Telerman et al.: A model for tumor suppression using H-1 parvovirus, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, Vol. 90, pp. 8702-8706, September 1993.

En résumé, un monoclone de K562 a été infecté par le parvovirus H-1. Cette infection a causé une mort massive de la culture cellulaire. Après un maintien de cette culture pendant une période de deux mois, le clone KS a été

10

15

20

25

30

isolé. La même expérience effectuée une seconde fois a fourni, après trois mois d'incubation, les clones KS2 et KS3.

En employant la même approche, les inventeurs ont dérivé d'une population de cellules malignes U937 <u>les lignées US3 et US4</u> qui sont résistantes au parvovirus H-1 et qui présentent une suppression du phénotype malin. Ces lignées sont décrites dans la référence (7).

Des cellules de leucémie myéloïde M1 et des cellules M1 ont été transfectées de façon stable avec un mutant sensible à la température val 135 p53 (LTR6).

Ces cellules sont cultivées sur milieu RPMI 1640 avec 10 % FCS à 5 % de CO₂ à 37°C (3). Pour la modification de la température, les cultures sont placées dans un second incubateur à 32°C.

<u>Lignée U937 transfectée par p21^{WAF1}</u>: la partie codante complète du cDNA du gène p21^{WAF1} a été clonée dans le vecteur pBK-RSV (Stratagene, La Jolla, Californie). 3,5 millions de cellules U937 ont été transfectées avec 20 microgrammes d'ADN/30 microgrammes Lipofectin (Life Technologies).

Les transfectants stables ont été sélectionnés à l'aide de 1,5 mg/ml de G418 (Sigma). Les caractéristiques de cette lignée décrivent notamment une suppression du phénotype malin.

Lignée U937 transfectée par TSIP2 (PS1) en position antisens: la partie codante complète du cDNA du gène TSIP2 (PS1) a été clonée en position antisens dans le vecteur pBK-RSV (Stratagene, La Jolla, Californie). 3 millions de cellules U937 ont été transfectées avec 20 microgrammes d'ADN/30 microgrammes Lipofectin (Life Technologies).

Les transfectants stables ont été sélectionnés à l'aide de 1,5 mg/ml de G418 (Sigma). Les caractéristiques de cette lignée, décrivant notamment un ralentissement de la croissance, une activation de l'apoptose et une suppression du phénotype malin, ont été décrites dans la référence (8).

<u>Lignée U937 transfectée par TSAP3 (HUMSIAH)</u>: la partie codante complète du cDNA du gène TSAP3 a été clonée dans le vecteur pBK-RSV (Stratagene, La Jolla, Californie). 3 millions de cellules U937 ont été transfectées avec 20 microgrammes d'ADN/30 microgrammes Lipofectin (Life Technologies).

15

20

25

30

Les transfectants stables ont été sélectionnés à l'aide de 1,5 mg/ml de G418 (Sigma). Les caractéristiques de cette lignée, comportent notamment une activation de l'apoptose et une suppression du phénotype malin.

5 Etude des ADNc différentiels

Pour effectuer les tests dans des conditions expérimentales standards et pour obtenir une reproductivité totale des résultats, les modifications suivantes au protocole d'origine (1) ont été effectuées :

On utilise toujours des ARNm polyA+ purifiés deux fois sur colonne d'oligodT utilisant Fast Track (Invitrogen, San Diego CA). Après transcription réverse (M-MLV Reverse Transcriptase, Gibco BRL) sur 0,05 µg de polyA+ utilisant 20 µM de chacun des dNTP (Boehringer-Mannheim), aucun dNTP additionné n'est ajouté au mélange de PCR final. Un « hot start » à 94°C pendant 5 minutes est effectué avant la PCR (GeneAmp PCR system 9600 Perkin Elmer Cetus). Les échantillons sont refroidis rapidement sur de l'eau glacée. Un « touch down » (2) de 10 cycles de 50°C à 40°C est effectué (94°C 30 secondes – 50°C 1 minute – 72°C 30 secondes), suivi par 35 cycles (94°C 30 secondes – 40°C 1 minute – 72°C 30 secondes) et une extension finale de 5 minutes à 72°C. Les produits de la PCR sont séparés sur gels de polyacrylamide à 6 % non dénaturant (4). Les gels sont exposés sans séchage. Chaque présentation différentielle est effectuée en comparant M1S6 et LTR6 à 37°C et après 4 heures d'incubation des deux lignées cellulaires à 32°C.

La procédure de présentation différentielle est répétée dans 3 expériences différentes pour confirmer une parfaite reproductibilité.

Les bandes exprimées différentiellement sont découpées à partir du gel, éluées et réamplifiées (1). Les produits de PCR sont sous-clonés en utilisant le système TA-cloning (Invitrogen, San Diego CA) en suivant les indications fournies.

Pour chaque réaction de ligation, 10 clones recombinants sont séquencés en utilisant le système automatique ABI.

Extraction des ARN, analyses et sondes Northern blots

10

15

20

25

30

L'ARN total est extrait avec du Trizol (Life Technologies). Les ARN poly1+ sont préparés en utilisant le kit OligotexdT (Qjagen, CA). 30 μg de l'ARN total ou 2 μg d'ARN polyA+ sont séparés sur agarose 1 % 1 x MOPS/2 % gel de formaldéhyde, transférés sur membrane de nylon (Hybond N+, Appligène, France) comme cela a été décrit précédemment (5). Les Northern blots sont hybridés avec des sondes marqués au P³² sur les inserts TSAP et TSIP et lavés comme décrit précédemment (5). Pour vérifier l'induction de la fonction du p53 sauvage, les Northern blots sont hybridés avec une sonde cycline G (6). A titre de contrôle pour la quantité d'ARNm chargée, les bots sont hybridés avec une sonde GAPDH. Différents Northern blots (Clontech CA) sont utilisés dans des conditions identiques et hybridés pour contrôle avec une sonde β-actine. Les Northern blots sont exposés pendant 10 jours à – 80°C.

Exemple 1

Le but recherché est de caractériser les voies moléculaires qui mènent à la suppression du cancer.

De façon à élaborer un modèle, on a fait l'hypothèse suivante : s'il était possible de sélectionner, à partir d'une tumeur qui soit sensible à l'effet cytopathique du parvovirus H-l, les cellules qui étaient résistantes, cette résistance pourrait être due à un changement de leur phénotype malin. Ceci a pu être démontré pour les cellules KS sélectionnées à partir des cellules érythroleucémiques K562. Contrairement à la lignée parentale K562, les clones KS, KS2 et KS3 sont résistants à l'effet cytopathique du parvovirus H-l. En outre, les cellules KS, KS2 et KS3 ont une réduction de leur tumorigénicité de 90 %, alors que cultivées dans du "soft agar", ces mêmes lignées KS ont une réduction de leur tumorigénicité in vivo lorsqu'injectées dans des souris immunodéprimées Scid-Scid. Au niveau moléculaire, on a pu remarquer que cette suppression du phénotype malin allait de pair avec une réexpression du gène suppresseur p53.

15 ADNc exprimés de manière différentielle entre les cellules K562 et KS ont été isolés. TSAP 9 est homologue aux chaperonines.

Le Tableau 1 rassemble les molécules caractérisées, en reprenant les amorces ainsi que les tailles des mRNAs détectés par Northern blot.

10

15

20

25

30

De ces 15 molécules, toutes sont induites dans les cellules KS, hormis TSIP 3, dont l'expression est inhibée durant la suppression du phénotype malin.

Dans des expériences de transfection, on a également pu démontrer que la résistance à l'effet cytopathique du parvovirus H-l allait de pair avec une fonction intacte du gène p53 et que des cellules transfectées avec des mutants p53 devenaient sensibles à l'effet cytopathique du parvovirus H-1.

Les 15 molécules que nous avons isolées codent donc des gènes dont la surexpression (TSAP 9 - TSAP 22) ou l'inhibition (TSIP 3) est associée non seulement à la suppression du cancer mais également à la résistance au parvovirus H-1. Ces gènes codent par conséquent pour des molécules faisant partie des voies moléculaires de la suppression du cancer et sont de potentiels gènes suppresseurs.

Afin de mieux cerner les voies d'activation p53/p21, les inventeurs ont étudié :

- l'activation de ces TSAP / inhibition des TSIP dans le modèle p53 thermosensible développé dans Moshe Oren,
- l'activation de ces TSAP / inhibition des TSIP dans le modèle où les cellules U937 sont transfectées par le gène p21,
- l'activation des nouveaux TSAP / inhibition des TSIP dans le modèle où les cellules U937 sont transfectées par le gène TSAP3, et
- l'activation de ces nouveaux TSAP/TSIP dans le modèle où les cellules U937 sont transfectées par le gène TSIP2 (PS1) en position antisens.

Le Tableau 1 ci-après rend compte de résultats d'expressions différentielles analysées par Northern blot des différentes sondes (TSAP9-TSAP22, TSIP3) du modèle K562/KS ainsi que des autres modèles U937/US3-US4, c'est-à-dire dans un modèle de suppression tumorale dans lequel le gène p21 est activé par la voie p53 indépendante. Ces ADNc sont donc activés dans deux systèmes cellulaires différents de suppression tumorale (le modèle d'érythroleucémie K562/KS et le modèle myélomonocytaire U937/US).

D'après ce tableau, on constate que dans la majeure partie des cas, les gènes exprimés différentiellement dans le modèle K562/KS sont également exprimés différentiellement dans le modèle U937/US3-US4. Il existe donc une machinerie moléculaire de la suppression tumorale commune à différents types de

cancer. Cette conclusion est également valable pour le modèle M1/LTR-6. Il faut noter dans ce dernier cas que l'absence de signaux dans certains TSAP-TSIP est probablement due au fait que les expérimentations ont été réalisées dans deux systèmes hétérologues (des sondes humaines sur de l'ARN de souris).

5

TABLEAU 1

CLONE A EXPRESSION DIFFERENTIELLE	AMORCES 3° ET 5° •	SONDE ADNe K562/KS	HOMOLOGIE	MODELE K562/KS mRNA kb
TSAP 9	T11AA-9	K26 D3	Chaperonine◊	2,6
TSAP 10	T11AA-9	K25.0 A11		1,6
TSAP 11	T11AA-9	K25.0 B7	EST	2,9
· TSAP 12	T11AA-9	K27.1 C7	EȘT	5,5
TSAP 13	T11AA-23	K25.1 F3	Protéasome°	1,8
TSAP 14	T11AC-5	K33.2 F10	EST	2,5
TSAP 15	T11AG-19	K22 E3	EST	1,6
TSAP 16	T11GC-2	K12.1 F5		2,8
TSAP 17	T11GC-12	K16.1 C7		1,8
TSAP 18	T11GG-5	K3.1 D2	EST	2,0
TSAP 19	T11GG-23	K5.2 E 10	EST	1,5
TSAP 20	T11GG-23	K5.1 A12		1,7
TSAP 21	T11GG-23	K5.1 A1	SNARE ^Δ	2,1
TSAP 22	T11GG-5	K3.1 A12	EST	2,8
TSIP 3	T11AC-5	K33.1 B11	EST	9,5

^{*} les chiffres et les séquences des amorces en 5' correspondent à ceux rapportés par Bauer et al.

[♦] HUMKG1DD ARNm humain pour l'ORF (équivalent humain de la chaperonine de souris contenant le gène TCP-1 (t-complexe polypeptide).

[°] Sous unité p40.5 du Protéasome (Nas7p)

[△] Syntaxine 11 SNARE

TABLEAU 1 (suite)

5

CLONE A	MODELE U937/US3-US4		
EXPRESSION			
DIFFERENTIELLE	RESULTAT	mRNA kb	
TSAP 9	EXP. DIFF	2,0	
TSAP 10	EXP. DIFF.	1,6	
TSAP 11	NO EXP. DIFF	2,8	
TSAP 12	NO SIGNAL	5,5	
TSAP 13	EXP. DIFF.	1,5	
TSAP 14	EXP. DIFF.	2,8	
TSAP 15	EXP. DIFF.	1,8	
TSAP 16	EXP. DIFF.	2,0	
TSAP 17	EXP. DIFF.	1,9	
TSAP 18	NO EXP. DIFF.	1,8	
TSAP 19	EXP. DIFF.	1,6	
TSAP 20	EXP. DIFF.	1,9	
TSAP 21	EXP. DIFF.	1,9	
TSAP 22	EXP. DIFF.	2,6	
TSIP 3	EXP. DIFF.	9,5	

CLONE A	MODELE M	11/LTR-6
EXPRESSION		
DIFFERENTIELLE	RESULTAT	MRNA kb
TSAP 9	EXP. DIFF.	2,6
TSAP 10	NO SIGNAL	1,6
TSAP 11	NO SIGNAL	2,9
TSAP 12	NO SIGNAL	5,5
TSAP 13	EXP. DIFF.	1,8
TSAP 14	EXP. DIFF.	2,5
TSAP 15	NO SIGNAL	1,6
TSAP 16	EXP. DIFF.	2,8
TSAP 17	EXP. DIFF.	1,8
TSAP 18	EXP. DIFF.	2,0
TSAP 19	NO SIGNAL	1,5
TSAP 20	NO SIGNAL	1,7
TSAP 21	EXP. DIFF.	2,1
TSAP 22	EXP. DIFF.	2,8
TSIP 3	NO SIGNAL	9,5

EXP DIFF. = Expression différentielle

NO EXPR. DIFF. = Pas d'expression différentielle

Le Tableau 2 ci-après résume l'expression différentielle de certains clones TSAP et TSIP dans différentes lignées de transfectants.

Il se dégage de ce tableau que, dans la majeure partie des cas, les transfectants p21 ou transfectants TSAP3 ou transfectants antisens-TSIP2 sont capables d'activer la machinerie moléculaire de la suppression tumorale commune aux systèmes U937/US et K562/KS.

TABLEAU 2

10

	TRANSFECTANTS P21	TRANSFECTANTS TSAP3	TRANSFECTANTS TSIP2
CLONE	EXPRESSION	EXPRESSION	antisens
	DIFFERENTIELLE	DIFFERENTIELLE	EXPRESSION
			DIFFERENTIELLE
TSAP9	OUI	OUI	OUI
TSAP10	OUI	OUI	OUI
TSAP11	NON	NON	NON
TSAP12	NON	NON	NON
TSAP13	OUI	OUI	OUI
TSAP14	OUI	OUI	OUI
TSAP15	OUI	OUI	OUI
TSAP16	NON	OUI	NON
TSAP17	OUI	NON	NON
TSAP18	NON	OUI	OUI
TSAP19	NON	NON	NON
TSAP20	oui	NON	OUI
TSAP21	oui	OUI	OUI
TSAP22	OUI	OUI	OUI
TSIP3	OUI	OUI	OUI

Le Tableau 3 ci-après récapitule les caractéristiques d'expression différentielle des clones d'ADNc par Northern blot.

TABLEAU 3

cDNA clones	mRNA kb	HOMOLOGIE	K562/K	U937/US	U937 p21	U937 AS PS1	U937 SIAH/TSAP3
TSPA9	2,6	Chaperonine◊	D	D	D	D	D
TSAP10	1,6	EST	D	D	D	D	D_
TSAP11	2,8	EST	D	N	N	N	N
TSAP12	5,5	EST	D	N	N	N	N
TSAP13	1,8	Protéasome°	D	D	D	D	D
TSAP14	2,5	EST	D	D	D	D	D
TSAP15	1,6	EST	D	D	D	D	D
TSAP16	2,5	NO	D	D	N	N	D
TSAP17	1,8	NO	D	D	D	N	N
TSAP18	2,0	EST	D	N	N	D	D
TSAP19	1,5	EST	D	D	N	N	N
TSAP20	1,7	NO	D	D	D	D	N
TSAP21	2,1	SNARE [△]	D	D	D	D	D
TSAP22	2,6	EST	D	D	D	D	D
TSIP3	9,5	EST	D	D	D	D	D

D : Expression différentielle

10 N : Pas d'expression différentielle

◊ : Chaperonine contenant le gène TCP1

°: Sous unité p40.5 du protéasome (Nas 7p)

Δ: Syntaxine 11 SNARE

REFERENCES

- (1) Liang P. & Pardee A.B. (1992) Science, 257, 967-971
- (2) Don R.H., Cox P.T., Wainwright B.J., Baker K. & Mattick J.S. (1991) Nucl. Acids Res., 19, 4008
- (3) Yonish-Rouach E., Resnitzky D., Lotem J., Sachs L., Kimchi A. & Oren M. (1991) Nature 352, 345-347
- (4) Bauer D., Muller H., Reich J., Riedel H., Ahrenkiel V., Warthoe P. & Strauss M. (1993) Nucl. Acids Res. 21, 4272-4280
- 10 (5) Sambrook J., Fritsch E.F. & Maniatis T. (1989) Molecular Cloning: a laboratory manual
 - (6) Okamoto K. & Beach D. (1994) EMBO J., 13, 4816-4822
- NemaniM., Linares-Cruz G., Bruzzoni-Giovanelli H., Roperch J.-P., Tuynder M., Bougueleret L., Cherif D., Medhioub M., Pasturaud P., Alvaro V., Der Sarkissan H., Cazes L., Le Paslier D., Le Gall I., Israeli D., Dausset J., Sigaux F., Chumakov I., Oren M., Calvo F., Amson R. B., Cohen D. and Telerman A., Activation of the human homologue of the Drosophila sina gene in apoptosis and tumor suppression, Proc. Nati. Acad. Sci. USA (1996) 93, 9039-9057
- 20 (8) Roperch J.-P., Alvaro V., Prieur S., Tuynder M., Nemani M., Lethrosne F., Piouffre L., Gendron M-G., Israeli D., Dausset J., Oren M., Amson R., and Telerman A., Inhibition of presentilin 1 expression is promoted by p53 and p21 WAF-1 and results in apoptosis and tumor suppression, Nature Medicine (1998) 4, 835-838.
- 25 (9) Kubota et al., 1995, Eur. J. Biochem. 230, 3-16,
 - (10) Hori et al., 1998, Gene, 216, 113-122,
 - (11) Baumeister et al., 1998, Cell, Vol. 92, 367-380,
 - (12) Advani et al., 1998, The Journal of Biological Chemistry, Vol. 273, N° 17, 10317-10324.

10

15

20

25

30

REVENDICATIONS

- 1) Séquence nucléotidique correspondant à un gène comportant:
- (a) une séquence selon l'une des IND.SEQ 1 à 15 ou un gène équivalent qui comporte:
 - (b) une séquence s'hybridant avec l'une des séquences selon (a),
- (c) une séquence présentant au moins 80 % d'homologie avec (a) ou (b), ou (d) une séquence caractérisée en ce que l'expression cellulaire du gène est induite ou inhibée lors de l'apoptose et/ou suppression tumorale.
- 2) Séquence selon la revendication 1, caractérisée en ce que l'apoptose et/ou la suppression tumorale est(sont) induite(s) par p53 et/ou p21.
- 3) Séquence selon l'une des revendications 1 et 2, caractérisée en ce qu'elle est choisie parmi TSAP 9 à TSAP 22 ou un gène équivalent.
- 4) Séquence selon la revendication 3, caractérisée en ce que l'apoptose et/ou la suppression tumorale est(sont) induite(s) par p53 et/ou p21.
- 5) Séquence selon la revendication 1, caractérisée en ce qu'elle correspond au gène TSIP 3 ou un gène équivalent.
- 6) Séquence selon la revendication 5, caractérisée en ce que l'expression cellulaire du gène est inhibée lors de l'apoptose et/ou la suppression tumorale.
- 7) Séquence selon l'une des revendications 1 à 6, caractérisée en ce que l'expression cellulaire du gène est activée par l'un au moins des transfectants choisi dans le groupe comprenant les transfectants p21, les transfectants TSAP3 et les transfectants antisens TSIP2.
- 8) Vecteur d'expression cellulaire d'une séquence selon l'une des revendications 1 à 7.
- 9) Vecteur d'expression selon la revendication 8, caractérisé en ce qu'il s'agit d'un vecteur viral.
- 10) Vecteur selon la revendication 9, caractérisé en ce qu'il s'agit d'un adénovirus, d'un rétrovirus, d'un virus herpès ou d'un poxvirus.
 - 11) Vecteur selon la revendication 8, caractérisé en ce qu'il s'agit d'un

10

15

20

25

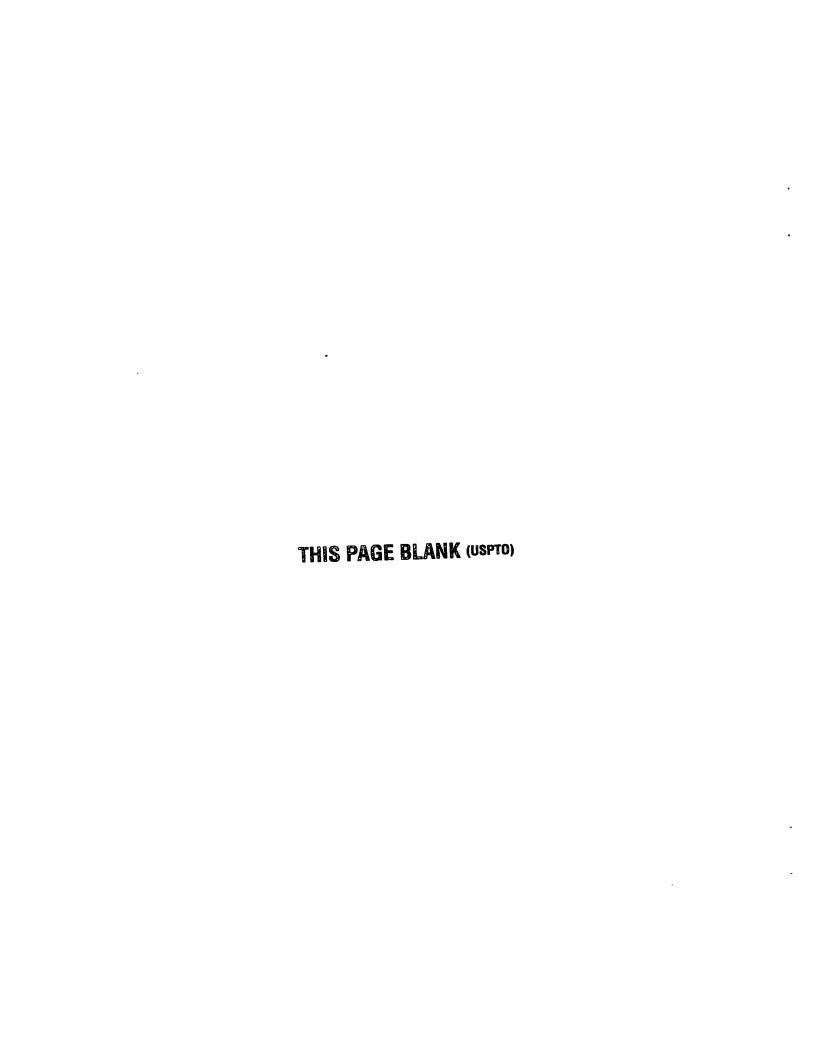
30

vecteur à acide nucléique nu.

- 12) Vecteur selon l'une des revendications 8 à 11, caractérisé en ce qu'il comporte une séquence assurant le ciblage et/ou l'expression tissu spécifique.
- 13) Cellule transformée par un vecteur d'expression selon l'une des revendications 8 à 12.
- 14) Protéine pouvant être obtenue par culture de cellule transformée selon la revendication 13 et codée par la séquence selon l'une des revendications 1 à 7.
- 15) A titre de médicament, un vecteur selon l'une des revendications 8 à 12 ou une protéine selon la revendication 14.
 - 16) A titre de médicament, un composé assurant l'expression cellulaire d'au moins une des séquences nucléotidiques selon l'une des revendications 1 à 3 ou de leurs produits.
 - 17) A titre de médicament selon la revendication 15, un vecteur nucléotidique assurant l'expression cellulaire de ladite séquence.
 - 18) A titre de médicament, un composé assurant l'inhibition de l'expression cellulaire d'au moins un gène cellulaire selon l'une des revendications 1, 5 à 7 ou de leurs produits.
 - 19) A titre de médicament selon la revendication 18, un nucléotide activé assurant la blocage de la séquence nucléotidique.
 - 20) A titre de médicament selon la revendication 18, un anticorps monoclonal dressé contre la ou les protéines codées par la séquence nucléotidique.
 - 21) A titre de médicament destiné au traitement du cancer, un médicament selon l'une des revendications 15 à 20.
 - 22) A titre d'agent antiviral, un médicament selon l'une des revendications 15 à 20.
 - 23) A titre d'agent de diagnostic, notamment pour la détermination de la prédisposition et le suivi des cancers, tout ou partie des séquences selon l'une des revendications 1 à 7 à utiliser comme sonde nucléotidique ou comme amorce d'amplification.
 - 24) A titre d'agent de diagnostic, notamment pour la détermination de la prédisposition et le suivant des cancers, un antigène correspondant à tout ou

partie des protéines codées par la séquence selon l'une des revendications 1 à 7 ou les anticorps correspondants.

25) Modèle pour la mise en évidence de médicament anti-cancéreux, et/ou antiviral des cellules selon la revendication 13.



TTTTTTTTTTTTTTTTTTAACAAAGCAGAGGGGTTTATTATAGGAAC **ATTCTCAAACTGCAACGGAAAAGATGTCCGTACAGGTGGATGGGGATGGAG TCTCTCCGTATCACCTAAGACCCTGAGACCTCCACCCTCTGCAGGAGAGAC** CCACAAAGAAGCCTCCTCCCTGTGGCCTGCCCATCAGGGACAGTCCTGT **ATTCAATGTCGACCGTCTGAGCAGCCAGCTTCATTGGCTGCAAACGCCTCTC** TCAGGTGAGTCAAAGGAGACACGACGGGGAACCAGGGGGCCCTAGGTGAGG **ATGTCATGGGCCTGGTGCTCCACCAGCATCTCCATGCTCTTCACATCCGTGC** ACCAGAACTCCAGGCGGTCCTTCATTCCCTTGATCTGTTGCAAATCCAACAC TCGGGGCTGCACCCAGGTCATGTGGACTCGTTTGTCCACCTCGTCTATACTG CCTTTCACCAGCCCCACCGAAAGGGCCTTCATCACCAGAAGCTCCACCTCAT **TCACTGTGATTTTAGCACTTTTGGCAATTTCTTCAAAAGTGAGTTGTCTGTGA** TTGGCAGGTCGTGAAAGTCATCTCCATGAGGCACAACAACTGAATTTTCC TCAGAAGCTGGGCTTCATTAGCTGCTAAATCAGGCTGCTGGCCCCAGGCAGT CTTCAGAGTCTGGAACCGCTCTACGTTGCCACTGTTGAAGGCATAGAGGGTG **TCAATCAGCCACTGCCGGTCAGTATTCCTCAGGGACTCCAGCACAGGGTGCA** TGAGGAGTTCTCCAAAGTTAAAAACTCCCTCGCCGAGAAGTCCTGCTAGCCC CAGCGTGAAGGCTCTCCTGCTGCTCAGACACTGGTAGATCCTTGATGTCA ACACAGCCCAAAAACCGCAGAGCATCTTTGTAGTAGGACGCGTGGTTTCCGA **TTGTTTGATAGTATTTACTGGAGAGATCATAGAAACGACTGTGAACCGATGT** CACACCAGGAAGGTTGTTGAGCATTTCTTCAACATCTTCAATTGTTTCCTTTG TAACCTGTAGGTCCCCGATGTTTAATTTTAGAGCTCCAATTGCTGTTTTACAC AGGATCACTGCCTCATCACTACTTTTCACCTTCTCACGAGTCTTTTCCAGAAA **AGTAAGAGCCACATTAGGATCAGTCATCTGTCTAACTACGTGAAGAATGATT** TCCACGAGGGACAGAGGATTCACCCTGTGTTCAAATTCACTGATAAAGTTTT CATAAAGCTTAATGAGACCATCTCCTTGGGCAAAGCACGGATCCTGCACAAA **ATCAAGCACCTGAAGTGTCAGCTGATGCCACAACTTCTTCGTGTAGAGCTCC** TCCAGACGGTGCCACACAGCGGGCTGCCCGGGCCCGGAGCTCTGGCTCTGC TGTAGGAAGCCCGGTACGTCCTTCATGACAGCAGG

FIGURE 1

ATCCAGCGCCAGCTGGAGATCATGGGCAAGGAAGTCTCGGGCCGACCAGATC GAGGACATGTTCGAGCAGGGTAAGTGGGACGTGTTTTCCGAGAACTTGCTG GCCGACGTGAAGGCCGCGCGGCCCCTCAACGAGATCGAGAGCCGCCAC CGCGAACTGCTGCGCCTGGAGAGCCGCATCCGCGACGTACACGAGCTCTTC TTGCAGATGGCGGTGCTGGTGGAGAAGCAGGCCGACACCCTGAACGTCATC GAGCTCAACGTACAAAAGACGGTCGACTACACCGGCCAGGCCAAGGCGCAG GTGCGGAAGGCCGTGCAGTACGAGGAGAAGAACCCCTGCCGGACCCTCTGC TGCTTCTGCTGTCCCTGCCTCAAGTAGCAGGCCGGCCCGGGCCGCCACCGC CCATCCCAGACCATGGAGCGCGCTGGGAAGGACGTCACCAAAGCCGGGAGC TCTGCCCTGCAGGGAGTTGCCCCAACCCTTTCCGGAACTCAGTCTTTAGAAA AGAAACGCCAGGTTCAAGAATTGCAAACCAGCCTGTGCTTGGAAAGATGGTT **AGTTGATACCGTCCGATGATTCTTCAGTAAAGATAGATTCCCACAAAGTTGTG** CAATGTCATTATATGACACCTTGCACTCTTACCGTCTTGACAGAAGCCAAGTAAGG AACTGAAGTTGT<u>ATCTGACTGTAGGGTGAATGTCTGAGGCCTGCCTAATAAA</u> **GACTCAAGGAGGAAGTCAATTGGGCATCTGCTAATAGAATGAACTCATGATGGAA ACTTCAGTTCATTTACTTTGTCCCTGAAAATTCCCTGGTTCTGTTCCATTTTGAGCG** <u>AAATTGGCCTTGGGAAAAACCACGTTCTTCCTTTCCGATTCTTCATCCGGTCTACG</u> **GCTATGCAATTCCTCCCAAA**TATAGATCTTATTTCTGCTCATTTCCCCTACTTATT AAAATCACACCAAACACTTACTATTTTCTTATCTCTTTCACTTTTTAAATATCTTTC ACCAGGTTATATTTTGGTATTATTTTTCCAAACATTTTTAAGCACTGAATATCGAA CAAGCACTCAAATTGAAGTATCAGTCATGTTTTTGTGTATTTTTCGCTGATAAAAAT **ACTAATATTCACTAATATGTACATAATGATCAATTGGTTTAACTTCTTTTATGTA** AAAAA

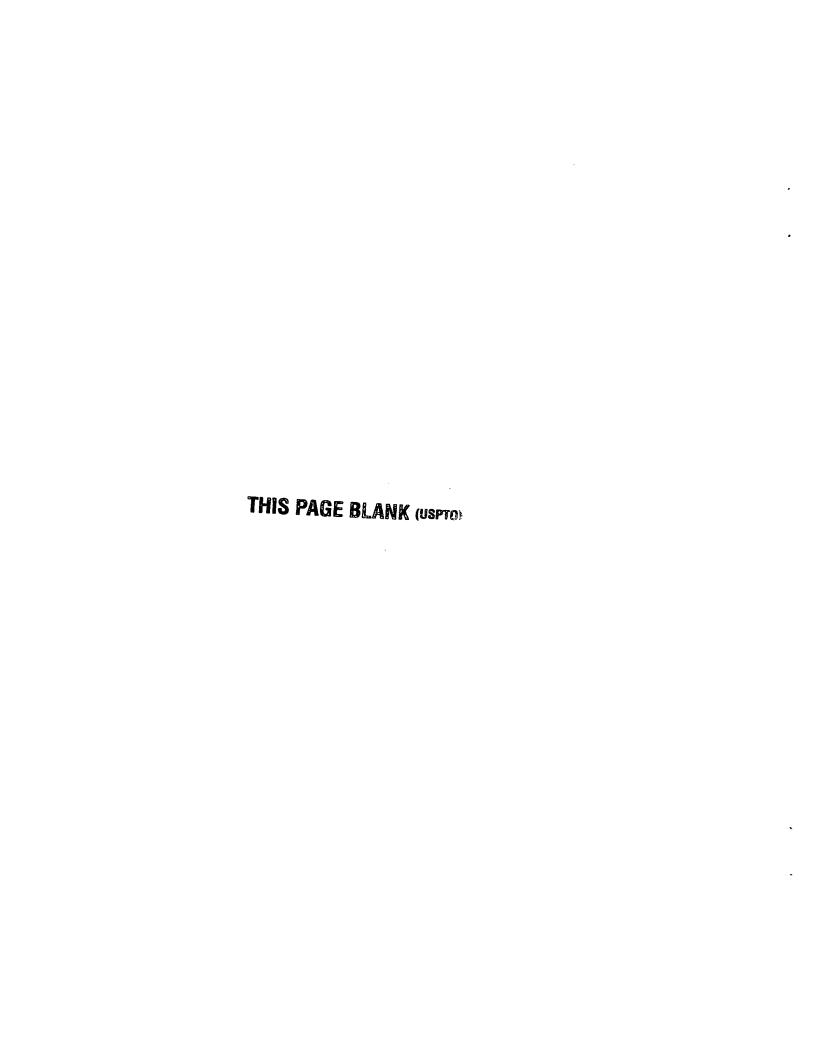
FIGURE 2



LISTAGE DE SEQUENCES

```
<110> FONDATION JEAN DAUSSET (CEPH)
<120> SEQUENCES ASSOCIEES A LA SUPRESSION DES CANCERS ET A LA
      RESISTANCE AU PARVOVIRUS H-1
<130> D16333
<160> 15
<170> PatentIn Vers. 2.0
<210> 1
<211> 303
<212> ADN
<213> Homo sapiens
<220>
<223> TSAP9
<400> 1
teggteatag tetggatggg atteatgata tgaagcaaca geatgteata gaaacettga 60
ttggcaaaaa gcaacagata tctcttgcaa cacaaatggt tagaatgatt ttgaagattg 120
atgacattcg taagcctgga gaatctgaag aatgaagaca ttgagaaaac tatgtagtaa 180
gatccacttc tgtgattaag taaatggatg tctcgtgatg cgtctacagt tatttattgt 240
tacatccttt tccagacact gtagatgcta taataaaaat agctgtttgg ttaaaaaaaa 300
aaa
<210> 2
<211> 1356
<212> ADN
<213> Homo sapiens
<220>
<223> TSAP10
<400> 2
tgagcagggc gacggcggcg gtggaacctg cggggctggg gcgccgccat gggcgcctgc 60
actgcactga ggacccggtg ccggaccggt gggcggcgac atgcagcagc tgaaccagct 120
gggcgcac gagtteteag ceetgacaga ggtgetttte caetteetaa etgagecaaa 180
agaggtggaa agatttctgg ctcagctctc tgaatttgcc accaccaatc agatcagtct 240
tggctccctc agaagcatcg tgaaaagcct ccttctggtt ccaaatggtg ctttgaagaa 300
gagtctcaca gccaagcagg tccaggcgga tttcataact ctgggtctta gtgaggagaa 360
agccacttac ttttctgaaa agtggaagca gaatgctccc acccttgctc gatgggccat 420
aggtcagact ctgatgatta accagctcat agatatggag tggaaatttg gagtgacatc 480
tgggagcagc gaattggaga aagtgggaag tatattttta caactaaagt tggtggttaa 540
gaaaggaaat caaaccgaaa atgtgtatat agaattaacc ttgcctcagt tctacagctt 600
cctgcacgag atggagcgag tcagaaccag catggagtgt ttctgctgat ttctgtccct 660
gcatctcccc tggccccgtt ccctgccctc ctcccttccc tgggtgactg ctctgagagg 720
cacttcactc acaggectgt gggatgetee atggggeeet getggeteea tggggeeeag 780
gtgcaaaggg tttctgaaaa acagcaggat taagtactga aagagcccaa cacaattacc 840
ctgtaaactc tctgttaggg caaccaccac cacctgtctt ccaggacaca tttttagata 900
ctctgacagg ccactgcatc tcagattcag gggagaaaat aagttqtcac ctccccttca 960
aagttccaga gtaaacaaat ggtgccatca ttcaagataa catgctgatc accctcctcc 1020
caaaaagcaa gagcttgttt atggctgagg aatcggcgga ttgtctgaat gacacatata 1080
```

cagagecece aeggatttet geacactetg ggtetgtget ggtggaacat tgecaateag 1140

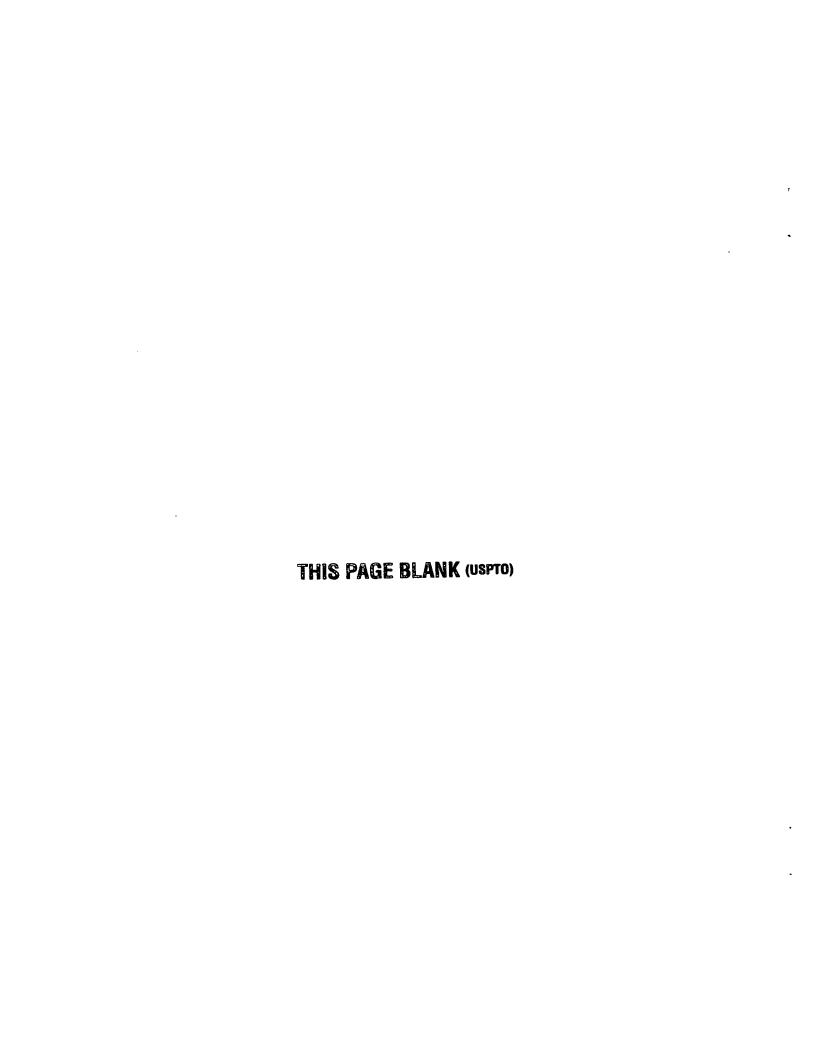


```
ttettaatga ggcacetgtg tgtaaataca tgettggtet tetetgeaga gaactgagge 1200
taaactctgt ccctacttct ggttttgccc tgtcatgtcg taacgaggtg ggccttttga 1260
ggccatttta gtttgagttc gaaccaacca cctctgttgg ttagatgatg aataaaaagg 1320
ttctgaagaa aaaaaaaaa aaaaaaa aaaaaa
<210> 3
<211> 100
<212> ADN
<213> Homo sapiens
<220>
<223> TSAP11
<400> 3
teggteatag eggtteeaag attagettet aetgetteet gtagettgge taatataete 60
tgctttacag ctgatgatat ggtgttgtta aaaaaaaaa
<210> 4
<211> 467
<212> ADN
<213> Homo sapiens
<220>
<223> TSAP12
<400> 4
teggteatag taaatteage atgaaagaga atattacaga aaagacagca geagaageat 60
tagcattatc taatatttat atatgttatc aacataacac agcagtaaaa ggtttaaatg 120
catatcaatg ggtaccatgt ctaaaaatta ctatagtacc tatttagtgt attggatatt 180
tttcttaaag agtgtttgct gtaactagaa cagcataata catgatttag tacagttaat 240
tettattgat taaataatgt atttatgtae tgaagaaagt gaaaaggaga cagatatttt 300
ttgcttcatt ttgattccag atttaacatt taaatgaaga ttccaaagga ccatgacatg 360
tcattattta actgaaatgg gcttcaaaat atttaaaaga cggtatgatt tgtatctaaa 420
cagcaaggtg gcaccagata cacgtaatgc tactggccta tgaccga
<210> 5
<211> 1547
<212> ADN
<213> Homo sapiens
<220>
<223> TSAP13 HOMOLOGUE PROTEASOME
<400> 5
ttttttttt tttttttt ttttttaaca aagcagaggg gtttattata ggaacattct 60
caaactgcaa cggaaaagat gtccgtacag gtggatgggg atggagatcc acctcggagt 120
acacagactt cagggggcct cctgcctggc acgttctttc tctcccgtat cacctaagac 180
cctgagacct ccaccctctg caggagagac ccacaaagaa gcctcctccc tgtggcctgg 240
ctcccatcag ggacagtcct gtttttagag caagaacagt ctgtacttca gacaggatcc 300
caaccccac ccaaattcaa tgtcgaccgt ctgagcagcc agcttcattg gctgcaaacg 360
cctctctcag gtgagtcaaa ggagacacga cggggaacca gggggcccta ggtgaggatg 420
teatgggeet ggtgeteeac eageatetee atgetettea cateegtgea eeagaactee 480
aggcggtcct tcattccctt gatctgttgc aaatccaaca ctcggggctg cacccaggtc 540
atgtggactc gtttgtccac ctcgtctata ctgcctttca ccagccccac cgaaagggcc 600
ttcatcacca gaagctccac ctcattcact gtgattttag cacttttggc aatttcttca 660
aaagtgagtt gtctgtgatt ggcaggtcgt gtgaaagtca tctccatgag gcacaacaac 720
tgaattttcc tcagaagctg ggcttcatta gctgctaaat caggctgctg gccccaggca 780
gtcttcagag tctggaaccg ctctacgttg ccactgttga aggcatagag ggtgtcaatc 840
```



```
agccactgcc ggtcagtatt cctcagggac tccagcacag ggtgcatgag gagttctcca 900
aagttaaaaa ctccctcgcc gagaagtcct gctagcccca gcgtgaaggc tctctcctgc 960
tgctcagaca ctggtagatc cttgatgtca acacagccca aaaaccgcag agcatctttg 1020
tagtaggacg cgtggtttcc gattgtttga tagtatttac tggagagatc atagaaacga 1080
ctgtgaaccg atgtcacacc aggaaggttg ttgagcattt cttcaacatc ttcaattgtt 1140
tcctttgtaa cctgtaggtc cccgatgttt aattttagag ctccaattgc tgttttacac 1200
aggatcactg cctcatcact acttttcacc ttctcacgag tcttttccag aaaagtaaga 1260
gccacattag gatcagtcat ctgtctaact acgtgaagaa tgatttccac gagggacaga 1320
ggattcaccc tgtgttcaaa ttcactgata aagttttcat aaagcttaat gagaccatct 1380
ccttgggcaa agcacggatc ctgcacaaaa tcaagcacct gaagtgtcag ctgatgccac 1440
aacttetteg tgtagagete etecagaegg tgecacaeag egggetgeee gggeeeggag 1500
ctctggctct gctgtaggaa gcccggtacg tccttcatga cagcagg
<210> 6
<211> 102
<212> ADN
<213> Homo sapiens
<220>
<223> TSAP14
<400> 6
ggaaccaatc ctaaagaata ttcttacata taataaagaa ttcccatttg atgttcagcc 60
tgtcccatta agaagaattt tggcacctgg taaaaaaaaa aa
<210> 7
<211> 1825
                          <212> ADN
<213> Homo sapiens
<220>
<223> TSAP15
<400> 7
teggeettte acctetteae ttateettag teccagtage caggatacet gatggeeaeg 60
cactctccca cagagetgga aatggggggt gggggacaga ttettacgga aatttttta 180
cctgacttgc tatgaaaaaa ctcatcacac aagaagagaa acagtaacct cactttgaaa 240
attageteca etcaagaeta gtecaegaae gagaeeegee ttttetaeae aggateeaag 300
ctcacgagaa gcagccagag tgccccgcct ccgccggctc tggtctgcca ttcgccagtg 360
cagggatctg gcatggacca gatgtggcga atggcagcac agcgcggtgg ctgggtctgc 420
acactggcct ctgcagccag atttctatat tgggagtttt ttaaaaagac atttcatagc 480
caacaagaat cagtagaagt gctgggagca gcagctgggg aagctgccgc ccacgggctc 540
tgccccttcc agctggagcc gcccgtgcct ccaggggcca agaggatgat gtcgtggcct 600
ccattctcgt ttctatgcag ccccatagtc caaggacacc cagtccacat ctaccatata 660
gcaagtttag taagggaagg cagcatacgt cccagggaca gtgggtttgg atctgtctag 720
aacagcggtt tgtggctgtg gcccagctcc gagagtgata tttgctctgg taggtgaggg 780
cctgagggta catttctcca cctgtgcccc ctcatgttca cagaggattt cagcagctgc 840
aactgcgcac gccaggtggg gaagggtggg ggtgggcctg gttgccccat gttaggaaat 900
cactaccagt caggtggggc tggggctggg tggacaggat caggattccc ttgaaagccc 960
aggcagggtg agcagtccca gtggtcctag tgccgcatca gatccaggtg ggtgagggca 1020
ggaggccatg cggaggagcc gtggatctgc ccacacatag gctactggaa tagtttaacc 1080
cagcaacttt cctttttata aaacaacaaa tcggttcaac tctgtctgca aattaacagc 1140
tgaacacctg caactgaaat gttttttgat ccgacgtact gaaatacgga agtcatgctc 1200
ttcccaccct ccacccacca gagtggaacc cgctgcaaaa tccccagcct taattcttgc 1260
ttcaggaccc agaccggtgt cttgctctag ggcaacccag ggcagagggg ccaggtctgc 1320
ccagcqttta ccactqctqt caagcacagc ccttggcacc atacgggcca tcctcagtga 1380
ggcagecece cataggette egcaagetet ggteeegaag aggetgtgeg agecetteee 1440
```

```
ggccctcccc aggccccccg cccctcctc tgcctgctgc gtggaggcag ccatgggaag 1500
gagcccaggg gagctggcct gggggagcga agcccatgtt cgcttcctga cttagagctg 1560
gggggggtgg ggggtggggc ttgttcccct gcagtatctg ttctgtgaag tttgttaaat 1620
gtaaggaaag cttaaattct tgtatcttta aaagagaaaa tcttatttaa cccttttgtg 1680
ttctagattt acttacacac atagcctaga gctcagtttt agttttaaca ttgtgaaaat 1740
attaaaagaa tettgtaaet ttattetttt tteteetget gaaaaaaaaa attaaaccaa 1800
tcgtatgaaa aaaaaaaaaa aaaaa
<210> 8
<211> 90
<212> ADN
<213> Homo sapiens
<220>
<223> TSAP16
<400> 8
tggattggtc caggattggg gttttgctag tccatagcaa ttcgaagggc agtgggctag 60
tgttatgaga atattggcaa aaaaaaaaa
<210> 9
<211> 131
<212> ADN
<213> Homo sapiens
<220>
<223> TSAP17
<400> 9
ctgcttgatg taggagggat taagttagta tttcccgtat cgaccaagac aaaattacaa 60
tatacgcata acaaagacaa acaccagtta cttggctcaa tatccaagtt ttaacctagc 120
aaaaaaaaa a
<210> 10
<211> 121
<212> ADN
<213> Homo sapiens
<220>
<223> TSAP18
<400> 10
ggaaccaatc ccaacacaac tggattctac tgaaattacc acatatttga ggtccacaag 60
121
<210> 11
<211> 893
<212> ADN
<213> Homo sapiens
<220>
<223> TSAP19
<400> 11
atggagggcc acatetgcca gagcetggag tetgcgaagg eegggaeeeg gtteeeegge 60
ccacagtggg ggtgtgcaaa cccgagagaa ctgggttgca aattcgtgaa gaatcagcat 120
catgtttggc agctgagtat tggagccagg agcctgccat gaggttttga gaacagagtg 180
```

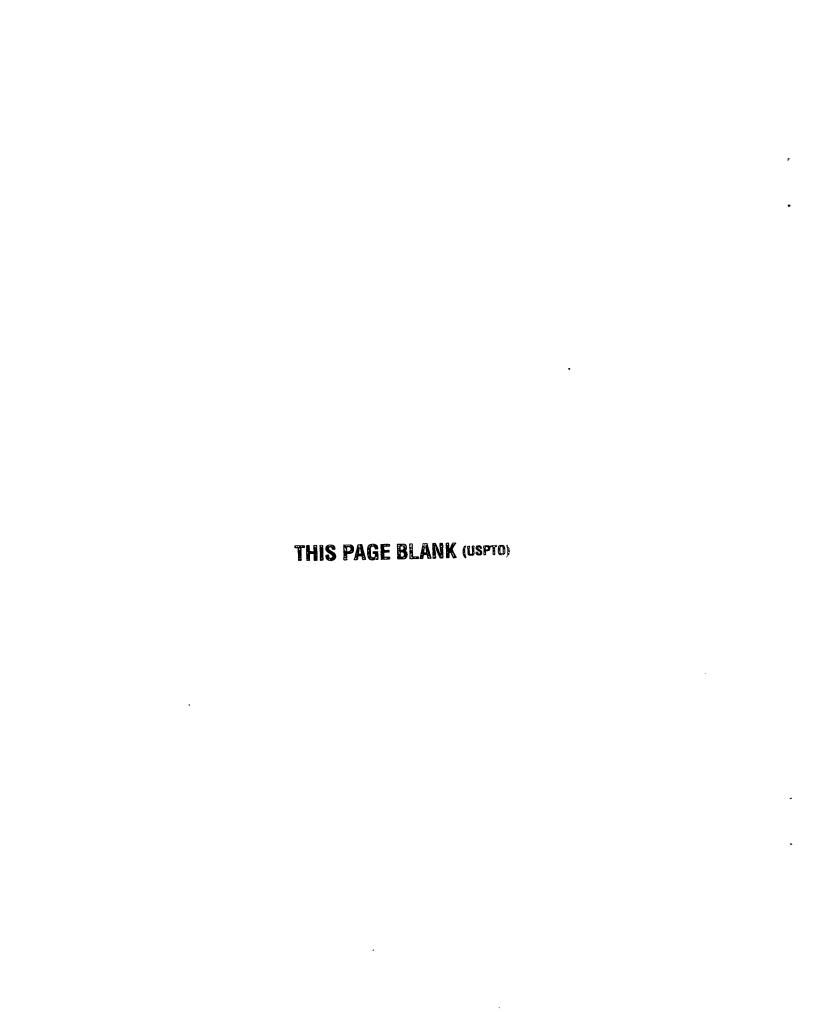


```
ctgttttaga gctggcagca gcatctcagc ccaagagaag gttatattcc cagaggatgt 240
cagteceaag gaccagtage tgccateagt ttggattetg aaaactaact ggcateaaca 300
ctgggtgtag aaacatgctt gccttatgta tcagaggaca tgctcagcag atccaagaga 360
tatatttggc aactttttct agaaaaggca cattgggtat cattcattac attcttgagt 420
ttttttgggt ttttttttt ttttttgaga cagtcttgct gtattgccca ggctggagtg 480
tggtggcaca atcacagete attgeatect caatcaceca ggeetaagea atceteceae 540
cttgtagctg ggactacagc tcacagcaca cctggctaaa atttttttt tgttgagacg 600
gattetetat gttgeecagg etggteteag geteetggge teagatggte eteetgeete 660
agettecaaa ggcacaggee aagttgtage tttgteeett gecateatge ecaacaagag 720
gttctatacc ttttaatgaa ttgactttca taaattggtt atgttggtgg gcaagttctt 780
taagctggaa attgtaaatt cctcctgaaa tgttttttca tgcagttacc atgaactaat 840
<210> 12
<211> 151
<212> ADN
<213> Homo sapiens
<220>
<223> TSAP20
<400> 12
gatetgactg tagggactat atteattact getggaetat getgetttee ceaacecet 60
aggattttaa aaatagcacg ctgcacttga aacaggggaa gacactgtat aacatccaaa 120
tgttcttctt ccctagaggc caaaaaaaa a
<210> 13
<211> 1295
<212> ADN
<213> Homo sapiens
<220>
<223> TSAP21 HOMOLOGUE SNARE
<400> 13
atccagcgcc agctggagat catgggcaag gaagtctcgg gcgaccagat cgaggacatg 60
ttcgagcagg gtaagtggga cgtgttttcc gagaacttgc tggccgacgt gaagggcgcg 120
egggeegeee teaacgagat egagageege cacegegaac tgetgegeet ggagageege 180
atccgcgacg tacacgaget ettettgeag atggeggtge tggtggagaa geaggeegae 240
accetgaacg teategaget caacgtacaa aagaeggteg actacacegg ecaggecaag 300
gcgcaggtgc ggaaggccgt gcagtacgag gagaaqaacc cctqccqqac cctctqctqc 360
ttctgctgtc cctgcctcaa gtagcaggcc ggcccgggcc gccaccgccc atcccagacc 420
atggagcgcg ctgggaagga cgtcaccaaa gccgggagct ctgccctgca gggagttqcc 480
ccaaccettt ccggaactca gtetttagaa aagaaacgee aggtteaaga attgcaaace 540
agcctgtgct tggaaagatg gttagttgat accgtccgat gattcttcag taaagataga 600
ttcccacaaa gttgtgcaat gtcattatat gacaccttgc actcttaccg tcttgacaga 660
agccaagtaa ggaactgaag ttgtatctga ctgtagggtg aatgtctgag gcctgcctcc 720
taataaagac tcaaggagga agtcaattgg gcatctgcta atagaatgaa ctcatgatgg 780
aaacttcagt tcatttactt tgtccctgaa aattccctgg ttctgttcca ttttgagcga 840
aattggcctt gggaaaaacc acgttcttcc tttccgattc ttcatccggt ctacggctat 900-
gcaattcctc cccaaatata gatcttattt ctgctcattt cccctactta ttaaaatcac 960
accaaacact tactattttc ttatctcttt cactttttaa atatctttca ccaggttata 1020
ttttggtatt atttttccaa acatttttaa gcactgaata tcgaacaagc actcaaattg 1080
aagtatcagt catgttttgt gtatttttcg ctgataaaaa ttatttaaca tttatatttt 1140
tacttgatta catatgcaca tgtatgtaaa tgtaaaatac taatattcac taatatatgt 1200
acataatgat caattggttt aacttetttt atgtaagtat ggtatataaa tttcaagaeg 1260
                                                                 1295
aaaaaaaaa aaaaaaaaa aaaaaaaaa aaaaa
```



<210> 14

```
<211> 2242
<212> ADN
<213> Homo sapiens
<220>
<223> TSAP22
<400> 14
agggctcgag cggccgcccg ggcaggttgt gttcttaatt tgcttttccc ttgtqagtcc 60
tgcatcattt gaaaatgtcc atgcaaagtg gtatcctgag gtgcggcacc actgtcccaa 120
cactcccatc atcctagtgg gaactaaact tgatcttagg gatgataaag acacgatcga 180
gaaactgaag gagaagaagc tgactcccat cacctatccg cagggtctag ccatggctaa 240
ggagattggt atggaatcct gtgtttttcc tcctccttgt acctcttta ttgtagtgac 300
agactggagt ccagtctggg aaaggagggt gtgtgtctcc cactcagggc ctggtgtact 360
cttggggaac cagctggcaa ggccctctgg gtcttaacgt cagcgttgga aggtggaagc 420
agggctggga gccggcagaa ggcgcccggg ccccaggagc cgcctcccgc tggtggtgtg 480
atcagaagag agtggggtcg agtgtacatt gccgtgtggt cgtgtttcct gtaggtgctg 540
taaaatacct ggagtgctcg gcgctcacac agcgaggcct caagacagtg tttgacgaag 600
cgatccgagc agtcctctgc ccgcctcccg tgaagaagag gaagagaaaa tgcctgctgt 660
tgtaaatgtc tcagcccctc gttcttggtc ctgtcccttg gaacctttgt acgctttgct 720
caaaaaaaa caaaaaaaag aaaaaagtcg caaaaaaaaa aaacaacggt ggagccttcg 780
cactcaatgc caactttttg ttacagatta atttttccat aaaaccattt tttgaaccaa 840
tcagtaattt taaggttttg tttgttctaa atgtaagagt tcagactcac attctattaa 900
aatttagccc taaaatgaca agccttctta aagccttatt tttcaaaagc gccccccca 960
ttettgttea gattaagagt tgecaaaata cettetgaae tacaetgeat tgttgtgeeg 1020
agaacaccga gcactgaact ttgcaaagac cttcgtcttt gagaagacgg tagcttctgc 1080
agttaggagg tgcagacact tgctctccta tgtagttctc agatgcgtaa agcagaacag 1140
cctcccgaat gaagcgttgc cattgaactc accagtgagt tagcagcacg tgttcccgac 1200
ataacattgt actgtaatgg agtgagcgta gcagctcagc tctttggatc agtctttgtg 1260
atttcatage gagttttctg accagetttt geggagattt tgaacagaac tgctatttcc 1320
tctaatgaag aattctgttt agctgtgggt gtgccgggtg gggtgtgtgt gatcaaagga 1380
caaagacagt attttgacaa aatacgaagt ggagatttac actacattgt acaaggaatg 1440
aaagtgtcac gggtaaaaac tctaaaaggt taatttctgt caaatgcagt agatgatgaa 1500
agaaaggttg gtattatcag gaaatgtttt cttaagcttt tcctttctct tacacctgcc 1560
atgcctcccc aaattgggca tttaattcat ctttaaactg gttgttctgt tagtcgctaa 1620
cttagtaagt gcttttctta tagaacccct tctgactgag caatatgcct ccttgtatta 1680
taaaatcttt ctgataatgc attagaaggt ttttttgtcg attagtaaaa gtgctttcca 1740
tgttacttta ttcagagcta ataagtgctt tccttagttt tctagtaact aggtgtaaaa 1800
atcatgtgtt gcagctttat agtttttaaa atattttaga taattcttaa actatgaacc 1860
ttettaacat cactgtettg ccagattace gacactgtea ettgaceaat actgaceete 1920
tttacctcgc ccacgcggac acacgcctcc tggtagtcgc tttgcctatt gatggttcct 1980
ttgggtctgt gaggttctgt aaactggtgc tagtgctgac gatgttctgt acaacttaac 2040
tcactggcga gaatacaggg tgggaccctt cagccactac aacagaattt tttaaattgc 2100
cagttgcaaa attgtggagt gtttttacat tgatcttttg ctaatgcaat tagcattatg 2160
aaaaaaagcg gccgctgaaa cc
                                                                 2242
<210> 15
<211> 144
<212> ADN
<213> Homo sapiens
<220>
.<223> TSIP3
<400> 15
ggaaccaatc caaatgccca tcaatgatag actagataaa gaaaatatag tacatatgca 60
```





A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER IPC 7 C12N15/12 C12N15/86 C07K16/32 C12Q1/68

C12N5/10 G01N33/50 C07K14/82 A61K31/70 C07K14/47 A61K38/17

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

B. FIELDS SEARCHED

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols) IPC 7 C12N C07K C12Q G01N A61K

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practical, search terms used)

C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT			
Category *	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.	
X	WO 97 22695 A (FONDATION JEAN DAUSSET CEPH; TALERMAN ADAM (FR); AMSON ROBERT (FR)) 26 June 1997 (1997-06-26) abstract page 1 -page 3 examples 1,2 claims 1-32	16,18, 21,22	
Α	* note that the term upstream genes, in particular P53, ensures the regulation of the genes presently claimed *	1-15,17, 19,20, 23-25	
	-/		

Further documents are listed in the continuation of box C.	χ Patent family members are listed in annex.		
 Special categories of cited documents: "A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance "E" earlier document but published on or after the international filing date "L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified) "O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means "P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed 	"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention "X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art. "&" document member of the same patent family		
Date of the actual completion of the international search	Date of mailing of the international search report		
8 October 1999	21/10/1999		
Name and mailing address of the ISA	Authorized officer		
European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL – 2280 HV Rijswijk Tel. (+31–70) 340–2040, Tx. 31 651 epo nl, Fax: (+31–70) 340–3016	Galli, I		

TIONAL SEARCH REPORT INTE

PC:/FR 99/01479

ation) DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
AMSON R B ET AL: "ISOLATION OF 10 DIFFERENTIALLY EXPRESSED CNDAS IN P53-INDUCED APOPTOSIS: ACTIVATION OF THE VERTEBRATE HOMOLOGUE OF THE DROSOPHILA SEVEN IN ABSENTIA GENE" PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF USA, vol. 93, no. 9, 30 April 1996 (1996-04-30), pages 3953-3957, XP002032914 ISSN: 0027-8424	16,18, 21,22
WO 95 20654 A (CANCER RES INST ROYAL; WILLISON KEITH ROBERT (GB); KUBOTA HIROSHI) 3 August 1995 (1995-08-03) abstract figure 8E claims 1-28	1,8-20
DATABASE GENBANK 'Online! Accession No. AA935282, 23 June 1998 (1998-06-23) STRAUSBERG R.: "EST; H. sapiens cDNA clone IMAGE:1556458" XP002104346 * compare with the sequence 2 of the file submitted *	1,8-14
DATABASE GENBANK 'Online! Accession No. AI022498, 19 June 1998 (1998-06-19) STRAUSBERG R.: "EST; H. sapiens cDNA clone IMAGE:1650253, similar to T-complex protein 1 (TCP-1) epsilon subunit." XP002104347 * compare with the sequence 1 of the file submitted *	1,8-14
NEMANI M. ET AL: "ACTIVATION OF THE HUMAN HOMOLOGUE OF THE DROSOPHILA SINA GENE IN APOPTOSIS AND TUMOR SUPPRESSION" PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF USA, vol. 93, no. 17, 20 August 1996 (1996-08-20), pages 9039-9042, XP000611649 cited in the application	1-25
	AMSON R B ET AL: "ISOLATION OF 10 DIFFERENTIALLY EXPRESSED CNDAS IN P53-INDUCED APOPTOSIS: ACTIVATION OF THE VERTEBRATE HOMOLOGUE OF THE DROSOPHILA SEVEN IN ABSENTIA GENE" PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF USA, vol. 93, no. 9, 30 April 1996 (1996-04-30), pages 3953-3957, XP002032914 ISSN: 0027-8424 W0 95 20654 A (CANCER RES INST ROYAL ;WILLISON KEITH ROBERT (GB); KUBOTA HIROSHI) 3 August 1995 (1995-08-03) abstract figure 8E claims 1-28 DATABASE GENBANK 'Online! Accession No. AA935282, 23 June 1998 (1998-06-23) STRAUSBERG R: "EST; H. sapiens cDNA clone IMAGE:1556458" XP002104346 * compare with the sequence 2 of the file submitted * DATABASE GENBANK 'Online! Accession No. A1022498, 19 June 1998 (1998-06-19) STRAUSBERG R: "EST; H. sapiens cDNA clone IMAGE:1650253, similar to T-complex protein 1 (TCP-1) epsilon subunit." XP002104347 * compare with the sequence 1 of the file submitted * NEMANI M. ET AL: "ACTIVATION OF THE HUMAN HOMOLOGUE OF THE DROSOPHILA SINA GENE IN APOPTOSIS AND TUMOR SUPPRESSION" PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF USA, vol. 93, no. 17, 20 August 1996 (1996-08-20), pages 9039-9042, XP000611649 cited in the application

		l
C.(Continu	ation) DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT	
Category ·	Citation of document, with indication where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	ROPERCH J.P. ET AL.: "Inhibition of presentlin-1 expression is promoted by p53 and p21/WAF1 and results in apoptosis and tumor suppression." NATURE MEDICINE, vol. 4, no. 7, July 1998 (1998-07), pages 835-838, XP002104344 cited in the application the whole document	1-25
A	ISRAELI D. ET AL.: "A novel p53-inducible gene, PAG608, encodes a nuclear zinc finger protein whose overexpression promotes apoptosis." EMBO J., vol. 16, no. 14, 1997, pages 4384-4392, XP002104345 the whole document	1-25
A	LINARE-CRUZ G. ET AL.: "p21WAF-1 reorganizes the nucleus in tumor suppression" PROC. NATL. ACAD. SCI. USA, vol. 95, no. 3, 3 February 1998 (1998-02-03), pages 1131-1135, XP002118217 the whole document	1-25

nformation on patent family members

Inter cional	Application No
PC./FR	99/01479

Patent document cited in search report		Publication date	Patent family member(s)		Publication date
WO 9722695	A	26-06-1997	FR FR CA EP	2742766 A 2747691 A 2240449 A 0868512 A	27-06-1997 24-10-1997 26-06-1997 07-10-1998
WO 9520654	A	03-08-1995	AU CA EP JP	1541395 A 2182499 A 0742822 A 10500001 T	15-08-1995 03-08-1995 20-11-1996 06-01-1998

A. CLASSEMENT DE L'OBJET DE LA DEMANDE CIB 7 C12N15/12 C12N15/86

C07K16/32

C12Q1/68

C12N5/10 G01N33/50" C07K14/82 A61K31/70 C07K14/47 A61K38/17

Selon la classification internationale des brevets (CIB) ou à la fois selon la classification nationale et la CIB

B. DOMAINES SUR LESQUELS LA RECHERCHE A PORTE

Documentation minimale consultée (système de classification suivi des symboles de classement) CIB 7 C12N C07K C12Q G01N A61K

Documentation consultee autre que la documentation minimale dans la mesure où ces documents relèvent des domaines sur lesquels a porté la recherche

Base de données électronique consultée au cours de la recherche internationale (nom de la base de données, et si réalisable, termes de recherche utilisés)

C. DOCUM	ENTS CONSIDERES COMME PERTINENTS	
Catégorie '	Identification des documents cités, avec, le cas échéant, l'indication des passages pertinents	no. des revendications visées
X	WO 97 22695 A (FONDATION JEAN DAUSSET CEPH; TALERMAN ADAM (FR); AMSON ROBERT (FR)) 26 juin 1997 (1997-06-26) abrégé page 1 -page 3 exemples 1,2 revendications 1-32 * remarquez que l'expression de gènes en amont, notamment p53, assure la régulation	16,18, 21,22
Α	des gènes revendiqués ici * 	1-15,17, 19,20, 23-25

Voir la suite du cadre C pour la fin de la tiste des documents	Les documents de familles de brevets sont indiqués en annexe
 "A" document définissant l'état général de la technique, non considéré comme particulièrement pertinent "E" document antérieur, mais publié à la date de dépôt international ou après cette date "L" document pouvant jeter un doute sur une revendication de priorité ou cité pour déterminer la date de publication d'une autre citation ou pour une raison spéciale (telle qu'indiquée) "O" document se référant à une divulgation orale, à un usage, à une exposition ou lous autres moyens "P" document publié avant la date de dépôt international, mais postérieurement à la date de priorité revendiquée 	"T" document ultérieur publié après la date de dépôt international ou la date de priorité et n'appartenenant pas à l'état de la technique pertinent, mais cité pour comprendre le principe ou la théorie constituant la base de l'invention "X" document particulièrement pertinent; l'inven tion revendiquée ne peut être considérée comme nouvelle ou comme impliquant une activité inventive par rapport au document considéré isolément "Y" document particulièrement pertinent; l'inven tion revendiquée ne peut être considérée comme impliquant une activité inventive lorsque le document est associé à un ou plusieurs autres documents de même nature, cette combinaison étant évidente pour une personne du métier "&" document qui fait partie de la même famille de brevets
Date à laquelle la recherche internationale a été effectivement achevée 8 octobre 1999	Date d'expédition du présent rapport de recherche internationale 21/10/1999
Nom et adresse postale de l'administration chargée de la recherche internationale Office Européen des Brevets, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL – 2280 HV Rijswijk Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl, Fax: (+31-70) 340-3016	Fonctionnaire autorisé Galli, I

OCUMENTS CONSIDERES COMME PERTINENTS Identification des documents cités, avec le cas échéant. l'indicationdes passages pertinents	no. des revendications visées
the state of the s	Tio. des reverdications visees
AMSON R B ET AL: "ISOLATION OF 10 DIFFERENTIALLY EXPRESSED CNDAS IN P53-INDUCED APOPTOSIS: ACTIVATION OF THE VERTEBRATE HOMOLOGUE OF THE DROSOPHILA SEVEN IN ABSENTIA GENE" PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF USA, vol. 93, no. 9, 30 avril 1996 (1996-04-30), pages 3953-3957, XP002032914 ISSN: 0027-8424	16,18, 21,22
WO 95 20654 A (CANCER RES INST ROYAL; WILLISON KEITH ROBERT (GB); KUBOTA HIROSHI) 3 août 1995 (1995-08-03) abrégé figure 8E revendications 1-28	1,8-20
DATABASE GENBANK 'Online! Accession No. AA935282, 23 juin 1998 (1998-06-23) STRAUSBERG R.: "EST; H. sapiens cDNA clone IMAGE:1556458" XP002104346 * comparez avec la séq. 2 du dossier soumis *	1,8-14
DATABASE GENBANK 'Online! Accession No. AI022498, 19 juin 1998 (1998-06-19) STRAUSBERG R.: "EST; H. sapiens cDNA clone IMAGE:1650253, similar to T-complex protein 1 (TCP-1) epsilon subunit." XP002104347 * comparez avec la séq. 1 du dossier soumis *	1,8-14
NEMANI M. ET AL: "ACTIVATION OF THE HUMAN HOMOLOGUE OF THE DROSOPHILA SINA GENE IN APOPTOSIS AND TUMOR SUPPRESSION" PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF USA, vol. 93, no. 17, 20 août 1996 (1996-08-20), pages 9039-9042, XP000611649 cité dans la demande	1-25
	DIFFERENTIALLY EXPRESSED CNDAS IN P53-INDUCED APOPTOSIS: ACTIVATION OF THE VERTEBRATE HOMOLOGUE OF THE DROSOPHILA SEVEN IN ABSENTIA GENE" PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF USA, vol. 93, no. 9, 30 avril 1996 (1996-04-30), pages 3953-3957, XPO02032914 ISSN: 0027-8424 WO 95 20654 A (CANCER RES INST ROYAL ;WILLISON KEITH ROBERT (GB); KUBOTA HIROSHI) 3 août 1995 (1995-08-03) abrégé figure 8E revendications 1-28 DATABASE GENBANK 'Online! Accession No. AA935282, 23 juin 1998 (1998-06-23) STRAUSBERG R.: "EST; H. sapiens cDNA clone IMAGE:1556458" XP002104346 * comparez avec la séq. 2 du dossier soumis * DATABASE GENBANK 'Online! Accession No. A1022498, 19 juin 1998 (1998-06-19) STRAUSBERG R.: "EST; H. sapiens cDNA clone IMAGE:1650253, similar to T-complex protein 1 (TCP-1) epsilon subunit." XP002104347 * comparez avec la séq. 1 du dossier soumis * NEMANI M. ET AL: "ACTIVATION OF THE HUMAN HOMOLOGUE OF THE DROSOPHILA SINA GENE IN APOPTOSIS AND TUMOR SUPPRESSION" PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF USA, vol. 93, no. 17, 20 août 1996 (1996-08-20), pages 9039-9042, XP000611649 cité dans la demande

Catégorie :	Identification des documents cités, avec, le cas échéant. l'indicationdes passages pertinents	no. des revendications visées
A .	ROPERCH J.P. ET AL.: "Inhibition of presentlin-1 expression is promoted by p53 and p21/WAF1 and results in apoptosis and tumor suppression." NATURE MEDICINE, vol. 4, no. 7, juillet 1998 (1998-07),	1-25
	pages 835-838, XP002104344 cité dans la demande le document en entier	
A	ISRAELI D. ET AL.: "A novel p53-inducible gene, PAG608, encodes a nuclear zinc finger protein whose overexpression promotes apoptosis." EMBO J., vol. 16, no. 14, 1997, pages 4384-4392, XP002104345 le document en entier	1-25
A	LINARE-CRUZ G. ET AL.: "p21WAF-1 reorganizes the nucleus in tumor suppression" PROC. NATL. ACAD. SCI. USA, vol. 95, no. 3, 3 février 1998 (1998-02-03), pages 1131-1135, XP002118217 le document en entier	1-25
	·	

: membres de familles de brevets

PC:/FR 99/01479

Document brevet cité au rapport de recherche	Date de publication		embre(s) de la ille de brevet(s)	Date de publication
WO 9722695 A	26-06-1997	FR FR CA EP	2742766 A 2747691 A 2240449 A 0868512 A	27-06-1997 24-10-1997 26-06-1997 07-10-1998
WO 9520654 A	03-08-1995	AU CA EP JP	1541395 A 2182499 A 0742822 A 10500001 T	15-08-1995 03-08-1995 20-11-1996 06-01-1998

ONAL SEARCH REPORT

A Application No PC., FR 99/01479

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER IPC 7 C12N15/12 C12N15/86 C12N5/10 C07K14/82 C07K14/47 C07K16/32 C12Q1/68 G01N33/50 A61K31/70 A61K38/17

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

B. FIELDS SEARCHED

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practical, search terms used)

Category '	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.	
x	WO 97 22695 A (FONDATION JEAN DAUSSET CEPH ;TALERMAN ADAM (FR); AMSON ROBERT (FR)) 26 June 1997 (1997-06-26) abstract page 1 -page 3 examples 1,2 claims 1-32	16,18, 21,22	
Α	claims 1-32 * note that the term upstream genes, in particular P53, ensures the regulation of the genes presently claimed * -/	1-15,17, 19,20, 23-25	

Further documents are listed in the continuation of box C.	Patent family members are listed in annex.
 Special categories of cited documents: "A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance "E" earlier document but published on or after the international filing date "L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or ciher special reason (as specified) "O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other neans "P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed 	"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention "X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art. "&" document member of the same patent family
Date of the actual completion of the international search	Date of mailing of the international search report
8 October 1999	21/10/1999
Name and mailing address of the ISA	Authorized officer
ો પ્રાવાગિકાં Pate:it Office, P.B. 5818 Patentiaan 2 Ni.	Galli, I

			9/01479
	ation) DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category *	Citation of document, with indication where appropriate, of the relevant passages		Relevant to claim No.
X	AMSON R B ET AL: "ISOLATION OF 10 DIFFERENTIALLY EXPRESSED CNDAS IN P53-INDUCED APOPTOSIS: ACTIVATION OF THE VERTEBRATE HOMOLOGUE OF THE DROSOPHILA SEVEN IN ABSENTIA GENE" PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF USA, vol. 93, no. 9, 30 April 1996 (1996-04-30), pages 3953-3957, XP002032914 ISSN: 0027-8424		16,18, 21,22
X	WO 95 20654 A (CANCER RES INST ROYAL; WILLISON KEITH ROBERT (GB); KUBOTA HIROSHI) 3 August 1995 (1995-08-03) abstract figure 8E claims 1-28	·	1,8-20
X	DATABASE GENBANK 'Online! Accession No. AA935282, 23 June 1998 (1998-06-23) STRAUSBERG R.: "EST; H. sapiens cDNA clone IMAGE:1556458" XP002104346 * compare with the sequence 2 of the submitted *	file	1,8-14
x	DATABASE GENBANK 'Online! Accession No. AI022498, 19 June 1998 (1998-06-19) STRAUSBERG R.: "EST; H. sapiens cDNA clone IMAGE:1650253, similar to T-complex protein 1 (TCP-1) epsilon subunit." XP002104347 * compare with the sequence 1 of the submitted *	file	1,8-14
A	NEMANI M. ET AL: "ACTIVATION OF THE HUMAN HOMOLOGUE OF THE DROSOPHILA SINA GENE IN APOPTOSIS AND TUMOR SUPPRESSION" PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF USA, vol. 93, no. 17, 20 August 1996 (1996-08-20), pages 9039-9042, XP000611649 cited in the application —/		1-25

INTER ONAL SEARCH REPORT



ategory .	Citation of document, with indication where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
egury	Oncome of document, with indication, where appropriate, or the relevant passages	nelevani to claim No.
1	ROPERCH J.P. ET AL.: "Inhibition of presentiin-1 expression is promoted by p53 and p21/WAF1 and results in apoptosis and tumor suppression." NATURE MEDICINE, vol. 4, no. 7, July 1998 (1998-07), pages 835-838, XP002104344 cited in the application the whole document	1-25
4	ISRAELI D. ET AL.: "A novel p53-inducible gene, PAG608, encodes a nuclear zinc finger protein whose overexpression promotes apoptosis." EMBO J., vol. 16, no. 14, 1997, pages 4384-4392, XP002104345 the whole document	1-25
	LINARE-CRUZ G. ET AL.: "p21WAF-1 reorganizes the nucleus in tumor suppression" PROC. NATL. ACAD. SCI. USA, vol. 95, no. 3, 3 February 1998 (1998-02-03), pages 1131-1135, XP002118217 the whole document	1-25
		·

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

nformation on patent family members

PC i / FR 99/01479

Patent document cited in search report	t	Publication date		Patent family member(s)	Publication date
WO 9722695	A	26-06-1997	FR FR CA EP	2742766 A 2747691 A 2240449 A 0868512 A	27-06-1997 24-10-1997 26-06-1997 07-10-1998
WO 9520654	Α	03-08-1995	AU CA EP JP	1541395 A 2182499 A 0742822 A 10500001 T	15-08-1995 03-08-1995 20-11-1996 06-01-1998